

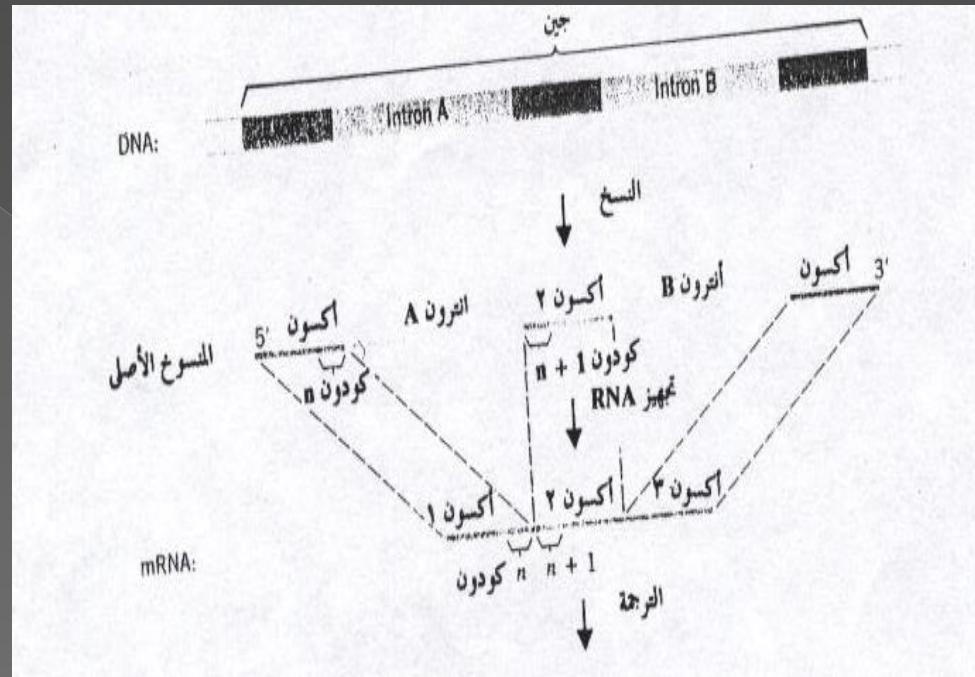
# تنليل الجينات (تقنية إكثار الجين)

أ.د. عامر دباغ

# الجين :Gene

- هو الجزء الوظيفي للمادة الوراثية ،
- يعتبر قطعة من جزئ DNA (عند بعض الفيروسات قطعة من جزئ RNA)
- يتحكم بـ تـحـلـيقـ الـبـنـيـةـ الـأـوـلـيـةـ لـالـجـزـيـءـ مـتـعـدـدـ الـبـيـتـيـدـاتـ والـجـينـ الـواـحـدـ يـحـتـوـيـ عـلـىـ أـلـفـ إـلـىـ عـدـةـ أـلـافـ مـنـ أـرـوـاجـ الـنيـوـكـلـيـوـتـيـدـاتـ
- يوجد هذا الجين في الكروموسومات وكل كروموسوم يحوي حوالي مليون زوج من النيوكليوتيدات تقريباً
- يحمل الجين المعلومات الوراثية وينقلها من جيل لآخر عبر الأعراض التناسلية (أو تشفّر إلى RNA واحد وذلك في الجينات التي لا تشفّر إلى بروتين) ويتحكم في ظهور صفة ما

- الجين من الناحية الجزئية هو الوحدة الوظيفية أو وحدة التوارث ، يشفر لسلسلة واحدة من عديد الببتيدات
- تكون جينات غير مميزة النواة من تتابعات شفرية مستمرة يطلق عليها الأكسونات Exons
- تحتوي العديد من جينات الكائنات مميزة النوى على تتابعات شفرية تسمى الإكسونات Exons تفصل بينها تتابعات بينية غير شفرية تسمى أنترونات Introns .
- إن الأنترونات قد تمدنا بميزة انتخابية بزيادة الدرجة التي يمكن للتابع الشفري في الأكسونات المختلفة لجين ما أن تتوزع مرة أخرى بالتركيب الجديد مما يعمل على إسراع العمليات التطورية



قص وإزالة الأنترون من النسخ الأولية أثناء تحرير RNA. وتحري هذه العملية بدقة حتى لا تخطى نيكليوتيدة واحدة وبذلك تكون قراءة الكودونات الموجودة في الأكسونات المجاورة للأنترونات بالإطار المناسب لإثبات أن تتابعات الأنترونات تستبعد من المنسوخ الأصلي أثناء التحرير

# نسخ الـ DNA (المورث) عن طريق الهندسة الوراثية Gene cloning

- الحصول على عدد كبير من الجزيئات أو الخلايا المتطابقة التي تنشأ من أصل واحد ،
- إنتاج أعداد كبيرة من جزيئات DNA المتماثلة التي يمكن تعريفها أو استخدامها في أغراض شتى
- الحاجة إلى كمية كبيرة من الـ DNA الذي يتحكم باصطناع بروتين ما.
- تسليم المورث أول DNA ضروري لتسهيل إجراء التجارب عليه

هناك طريقتان لتنسيل المورث.

- ١- التنسيل باستخدام الخلايا الحية
- ٢- التنسيل باستخدام طرق صناعية

# التنسيل باستخدام الخلايا الحية

- يتم ذلك في مزارع الجراثيم أو الفطور أو خلايا الحيوان أو النبات
- تعتمد هذه التقنية على أن جزيئات DNA المهجينة يمكن تكوينها في الناقلات والتي تكون عادة إما بلازميد بكتيري أو فاج أو كوزميد الذي يستمر بعد ذلك في التناسخ في الخلية المضيفة Host Cell ولكن تحت تأثير نظم التحكم الخاصة بهم،
- يمكن الحصول على أعداد هائلة من نسخ الجين

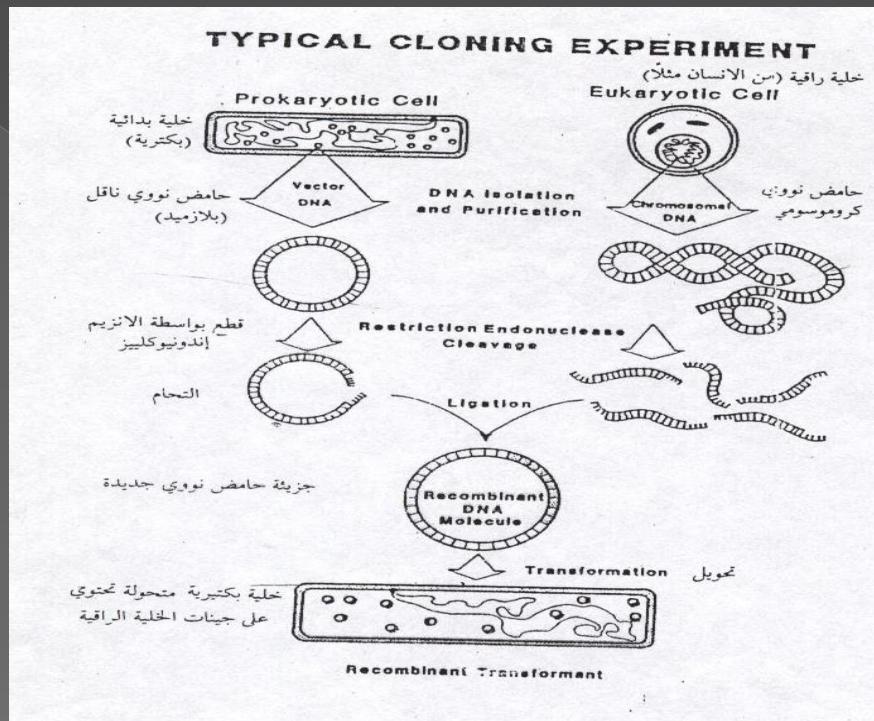
# عمليات تنسيل الجين تم حسب مراحل معينة ومتالية

١. عزل الـ DNA من الكائن المراد نقل مادته الوراثية ثم تنقيته.

٢. قطع جزيئات الـ DNA باستخدام إنزيم القطع المناسب إلى شظايا تحتوي كل منها على جين وراثي معين أو يمكن تركيب ذلك المورث اصطناعياً خارج الجسم.

٣. ربط ذلك المورث(DNA الغريب) بعامل ناقل (بلازميد أو فاج وغيرها) بمساعدة إنزيمات الربط ويطلق عليه DNA المعاو صياغته ويتم حمله إلى الكائن المستقبل(مثلاً بكتيريا الإكولاي أو نوع من الخميرة الذي لا يحوي هذا المورث حيث يحدث تكرار لـ Recombinant DNA في الجسم المضيف وقيامه بوظائفه وذلك بتحليل mRNA للجين المنقول والذي يترجم بدوره لإنتاج البروتين الخاص بهذا الجين

- ٤-انتقاء واختيار المستعمرات البكتيرية التي تحتوي على الناقل مع القطع المهجنة والسام لـها بالتكاثر في إطباق الزراعـه (وسط أو سائل مغذي )
- ٥-استخلاص الـDNA المهجـن(المورث الغـريب) بكميات كبيرة من القطع المهجنة ويستخدم حسب الـهدف من عملية التـنـسـيل.



**تجربة نموذجية لزراعة الجينات**

# هذه المراحل تم على الشكل التالي:

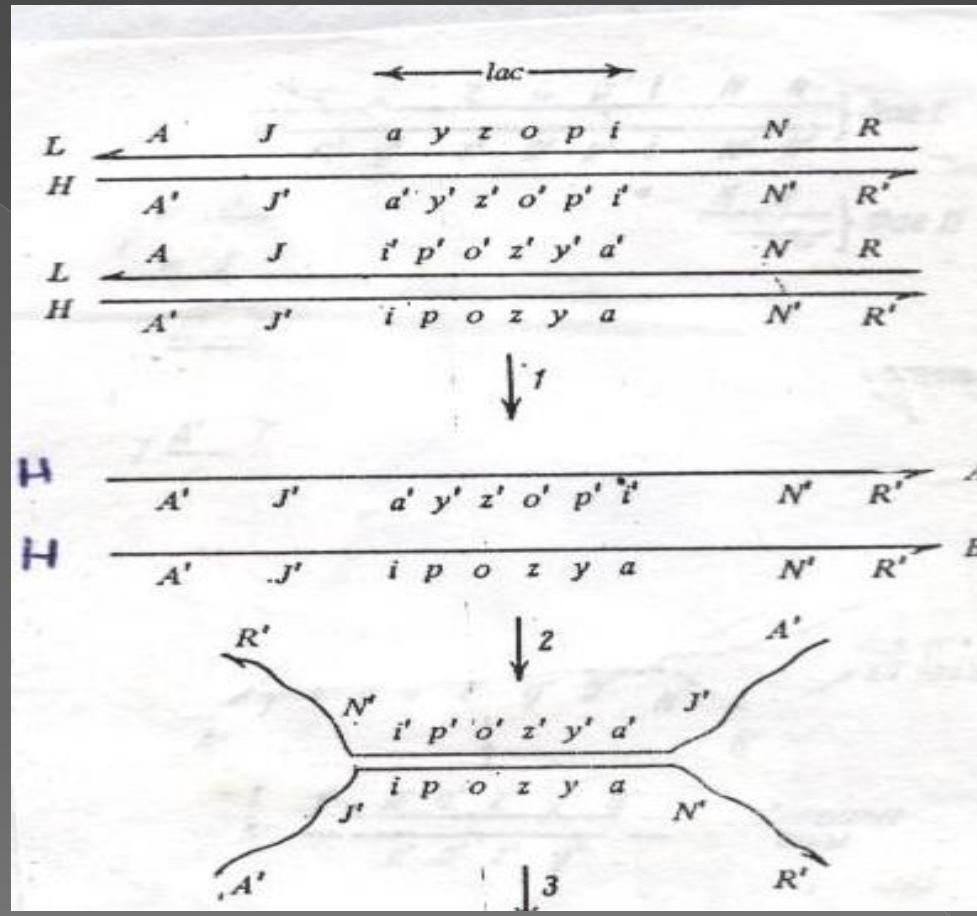
## عزل المورثات

- المورثات المراد نقلها يتم الحصول عليها من المجين باستخدام الإنزيمات أو أن يتم تركيبها صناعياً بالطريقة إلا أن بعضها لا يحوي العناصر الضرورية للقيام بوظائفها وهذا ما يحد من استعمال المورثات المركبة صناعياً في أعمال الهندسة الوراثية.

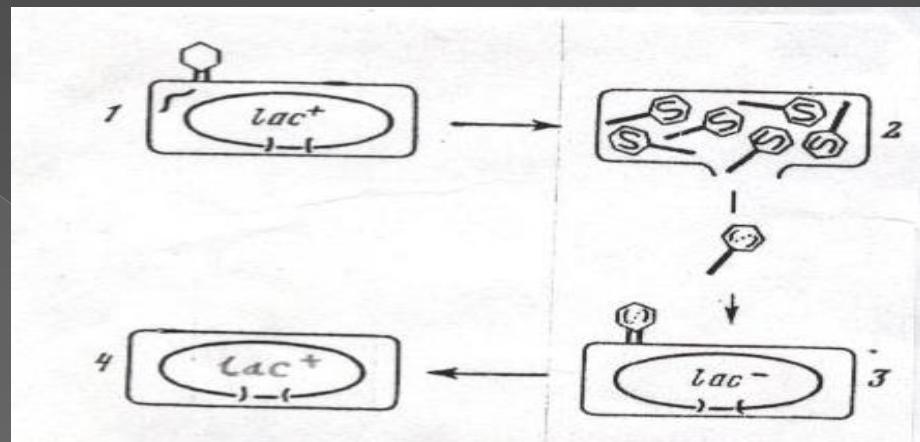
- عملية نقل المورثات تم غالباً على المورثات الطبيعية المعزولة من المجين باستعمال أنزيمات القطع وفي حالات نادرة جداً باستخدام العاثيات.
- في الوقت الحاضر الطريقة الأكثر انتشاراً ، تسمى طريقة الطلق الناري (Shot gun) ، الـ DNA يقطع ميكانيكياً أو بأنزيمات القطع إلى شظايا صغيرة وكثيرة العدد وبعد ذلك يتم تهجينها مع جزيئات DNA للعامل الناقل.

# عزل المورثات باستعمال الفاجات (العاثيات) الناقلة

- استعمال نوعين مختلفين من الفاجات المعدلة الناقلة لمبدا و φ .٨٠. فعند تكاثر هذين النوعين في العصية المعاوية فإن الفاجات تدمج في مجينها أو بيرون اللاكتوز للبكتيريا مع المورث المنظم الملتصق به ، في اتجاه مقلوب كما هو موضح في الشكل (٤-١٠-٣-١٠) يتربك أو بيرون اللاكتوز من مورث منظماً ومشجع p(بروموتور) ومشغل a,y,z(أويراتور) ومجموعة مورثات تركيبية



مخطط عزل مورث أوبيرون اللاكتوز للعصية المعاوية  
 الخيط الخيفي للـ **H-DNA** تمثل مورثات الفاجين إذ أن أحد  
 L- الخيط الثقيل للـ **A-J-N-R-DNA** يربط هذه القطعة بالترتيب  
 i ، p ، o ، z ، y ، a



الشكل يوضح انتقال اوبيرون اللاكتوز باستخدام الفاج

- الفاج الثاني يربط هذه القطعة بترتيب معاكس أ ، p ، y ، z ، o . وللتحرر من مورثات الفاجات ذاتها فإن الـ DNA لكل فاج يتم تفكيكها وبالتالي يتم فصل الخيط الثقيل للـ DNA (الغني بأزواج C - G) عن الخيط الخفيف (الغني بأزواج A - T)
- يتم خلط الخيوط الثقيلة لكلا الفاجين ،
- المورثات المكملة لبعضها البعض في كروموسوم البكتيريا تشكل قطعة ثنائية الخيط ، أما القطع التي تقع على اليسار واليمين لـ DNA الفاج لم تقترن وبقيت أحادية الخيط وبعد ذلك باستخدام إنزيم الـ DNA as the dinar يتم تحليل القطع أحادية الخيط وتبقى فقط القطع ثنائية الخيط التي تحتوي أوبيرون اللاكتوز للبكتيريا ومورثه المنظم
- إمكانية عزل مورثات محددة بشكل نقي بهذه الطريقة مناسبة فقط في حادثة معينة لهذا في الهندسة الوراثية تستعمل طرق أكثر شيوعاً وهذه الطرق هدفها عزل شظية DNA مع المورثات المراد نقلها وإدخالها في الناقل المناسب والذي بواسطته هذه القطعة يمكن أن تتكرر بعدة نسخ وتدمج في خلية المستقبل

# تصميم القطع الموجه من DNA: أو إدخال قطعة الـDNA في الناقل:

- يعتمد النسخ باستخدام الخلايا الحية على قدرة القطعه المراد نسخها على الانقسام او التكاثر الذاتي عندما توضع داخل الخلية الحية ولاشك ان قطع DNA العادي ليس لديها القدرة على التكاثر الذاتي
- ادخال القطعه المراد نسخها في ناقل من النوائق (VECTORS)المعروفه بقدرتهاعلى التكاثر الذاتي
- طريقة إدخال قطعه من الـDNA ( المراد نسخها) إلى الناقل تقريرياً واحدة

# وهذه الخطوات تسمى كما يلي :

- —بعد أن يتم تحديد القطعة المراد نسخها يضاف إليها أحد الإنزيمات القاطعة المحددة فيقوم هذا الإنزيم بقطع إلـDNA في مكان محد دحسب التسلسل النووي
- ٢-يضاف نفس الإنزيم للناقل والذي يقوم بقطعه أيضا في نفس التسلسل النووي

- -تضاف القطع المراد نسخها بعد قطعها بالأنزيم القاطع إلى الناقل المقطع فتتداول التسلسلات النوية بين الناقل وبين قطع الـ DNA المراد نسخها حسب قاعدة تكامل القواعد فتنشأ من ذلك قطعة مهجنة من الناقل وبداخله القطعة المراد نسخها وترتبط قطعة الـ DNA من أطرافها مع البلازميد من أطرافه برابطه هدروجينية وهي رابط ضعيف لذلك يضاف أنزيم رابط (Ligase) لكي يحول الترابط بين قطعة DNA والناقل إلى رابط قوي، إن أكثر الناقلات استخدام هو البلازميد ولكن يمكن استخدام ناقلات أخرى والذي يحدد نوع الناقل المراد استخدامه هو في العادة طول القطعة المراد استنساخها
- في حالة القطع الصغيرة يستخدم البلا زميد
- بينما في حالة القطع الكبيرة تستخدم الكروموزومات الصناعية

# نقل الناقل وبداخله القطعة المهجنة إلى خلية حية :

- البلازميد المحتوي على قطعة DNA المصافحة Recombinant DNA المعاد صياغته يطلق عليه
- يتم إدخاله إلى الخلية البكتيرية بطريقة التحول أو العدوى
- الناقلات الأخرى تحتاج إلى مساعدة مثل تغير تركيز الشوارد الموجبة المحيطة بالبكتيريا أو تعرض البكتيريا إلى صدمة حرارية Heat Shock أو التيار كهربائي بقوة عالية لكي يسمح الجدار المحيط بالبكتيريا بدخول الناقلات

# التنسيل الوراثي gene cloning

- تأمين وسط زرع مناسب مع مغذيات ملائمة تنمو الخلايا المعدلة وراثياً وتتكاثر ، حيث تحدث دورات انقسام للخلية البكتيرية ومعها دورات متعددة لانقسام البلازميد مستقلة عن انقسام الخلية . وبالتالي ينتج لدينا أعداد كثيرة من المستعمرات وبها البلازميد المهجن الذي يحوي المورث الغريب

● يمكن لميكانيكية التناضح للبلازميد أو الفاج إنتاج (١٢١٠) جزيء من DNA المعاد صياغته مماثل للجزيء الذي بدأنا به في فترة أقل من يوم واحد مما يزيد عدد وحدات الجين البشري المهجن مع البلازميد بنفس المعدل وبالتالي ستقوم هذه البكتيريا بصنع كميات كبيرة من جزيئات البروتين المرغوب ،

# عملية نقل المورثات أن تتعرقل بـ أحد العوامل

- تعرف الخلية على الجين الغريب في البلازميد الناقل ، وعندها ستبادر لاستخدام أسلحتها الفتاكـة الممثلة بأـ نـ زـ يـ مـ اـتـ الـ قـ طـ عـ اـ تـ يـ تـ قـ طـ عـ اـ تـ إـ لـىـ قـ طـ عـ صـ غـ يـ رـ ةـ غـ يـ رـ ةـ فـ عـ الـ لـ اـ ظـ يـ فـ يـ اـ لـ ذـ لـ كـ يـ جـ بـ اـ سـ تـ خـ دـ اـ مـ الـ بـ لـ اـ زـ مـ يـ دـ اـتـ مـ نـ الـ خـ لـ اـ يـ اـ نـ فـ سـ هـ اـ .
- قد لا تكون الخلية الجرثومية المعدلة وراثياً مؤهلة لفهم وتنفيذ المعلومات الوراثية المدخلة إليها على البلازميد ، وبالتالي ستكون النواتج قليلة الكمية وغير فعالة حيوياً .

# اختيار المستعمرات البكتيرية التي تحتوي على الناقل مع القطعة المهجنة

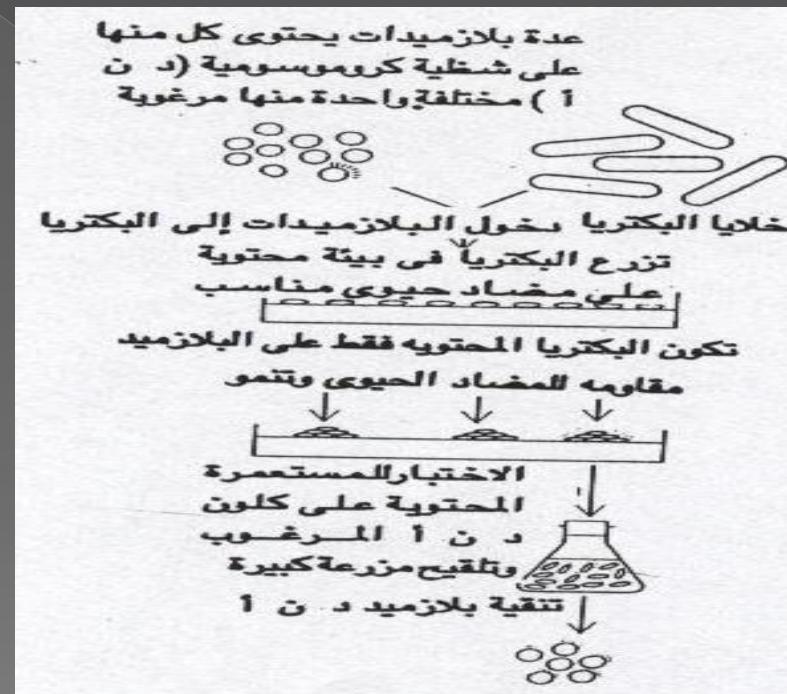
- لابد من التمييز بين البكتيريا الحاوية وغير الحاوية على البلازميد المهجن
- التعرف على المجموعات النادرة من الكلونات التي تحتوي على شظية DNA المرغوبة
- ضرورة التعرف على المجموعات النادرة من الكلونات التي تحتوي على شظية DNA المرغوبة

# طرق التعرف على شظايا DNA أو البكتيريا التي تحوي المورث المطلوب

- ❖ زراعة البكتيريا على وسط يحوي مصاد حيوي:
- ❖ بعض الخلايا لن يدخلها البلاسميد الناقل المهجن ولابد من التعرف عليها والتخلص منها ،
- ❖ الاستعانة بالموراثات التي تتحكم بصفة المقاومة للصادات (المضادات الحيوية) التي يمكن إضافتها منذ البدء إلى البلاسميدات الناقلة

- تعریض جملة الخلايا للصادات ، فالخلايا التي لم تدخلها البلاسمیدات ستموت بفعل الصادات ، بينما تبقى الخلايا التي دخلتها البلاسمید الناقل لصفة المقاومة للصادات والحاصل للمورث المرغوب
- المضاد الحيوي يمنع تكاثر الخلايا التي لا تحتوي على بلازمید المهجن والذي يحمل الجين الواقي من المضاد الحيوي

## تنقية وإكثار تتابع نوعي من DNA بعملية التنسيل



# (الكلونة Cloning) في البكتيريا:

- البلازميدات المهجينة التي حصل عليها تندمج في العصبة المعاوية ثم تختار الخلايا البكتيرية ، التي تحوي الجزيئات المعاد صياغتها مع المورث الضروري .
- هذا المورث يحدد مقاومة البكتيريا لمضاد حيوي ما فإن البكتيريا مع الجزيئات المدمجة فيها تزرع على وسط مع هذا المضاد الحيوي - وبالتالي ستعيش فقط البكتيريا التي تحوي هذا المورث أما الأخرى تموت

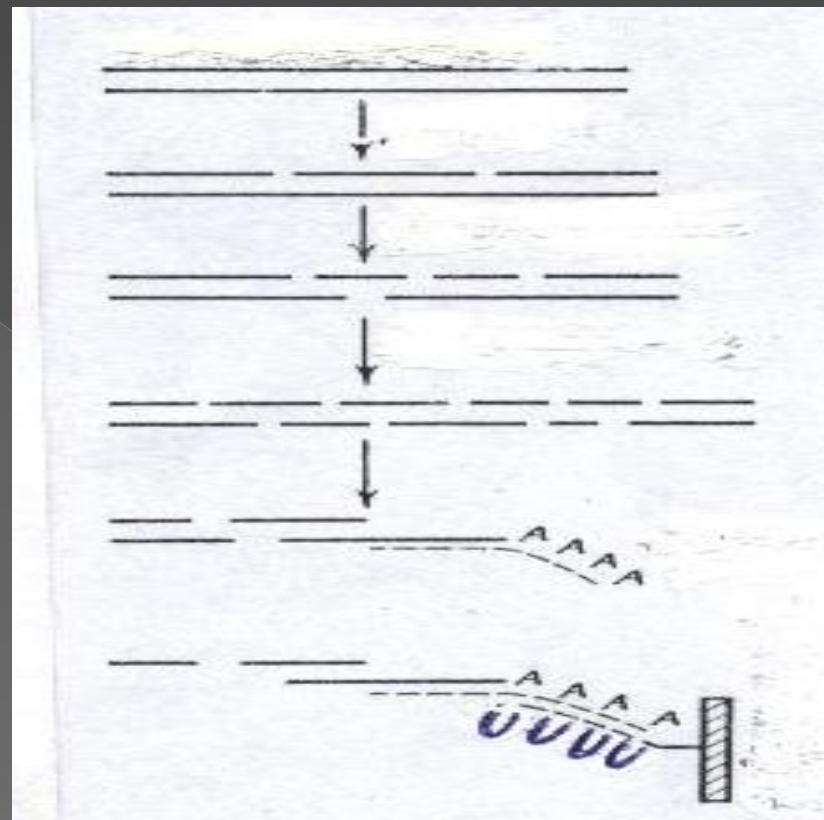
# ادخال الجزيئات الناقلة التي تحوي المورث المطلوب في البكتيريا الطافرة:

- إذا كان المورث يتحكم بتحليق مادة ضرورية لحياة البكتيريا على سبيل المثال عندما يراد عزل واستنساخ شظية DNA مع المورث الذي يساعد الخلية على ترسيب أي من الأحماض الأمينية أو الإنزيمات أو الأسس الأزوتية أو الفيتامينات. ففي هذه الحالة يتم إدخال الجزيئات الناقلة المعا صياغتها التي تحوي المورث الذي يتحكم بتحليق تلك المادة

# طريقة تهجين mRNA مع DNA

- تقطيع DNA بأنزيمات القطع أو ميكانيكيًّا
- تعامل الشظايا الناتجة بمحلول mRNA للمورث المراد عزله فجزئيات mRNA ترتبط (نتيجة التكامل) فقط مع شظايا DNA التي تحوي المورث المطلوب
- يوجد متعدد الادنين A عند نهاية جزيئات mRNA والذي يرتبط مع متعدد اليوراسيل (U) بعد ذلك يمرر محلول من خلال عمود مملوء بمادة حبيبية (مثل السيفاروز) تحوي جزيئات متعدد اليوراسيل (U)

- شظايا DNA فقط الحاوية على المورث المطلوب تتحجز في العمود . أما شظايا DNA الباقيه (التي لا تحوي المورث المطلوب) التي لم تتكامل مع جزيء mRNA تغسل وتخرج بشكل حر من العمود الذي يسمح بمرورها مع السائل وتبقى فقط شظايا DNA المتكاملة مع mRNA
- يتم استخلاص شظايا DNA التي تحوي المورث المطلوب وتحريرها من جزيء mRNA كما هو موضح



يمثل شظايا DNA الحاوية على المورث الضروري

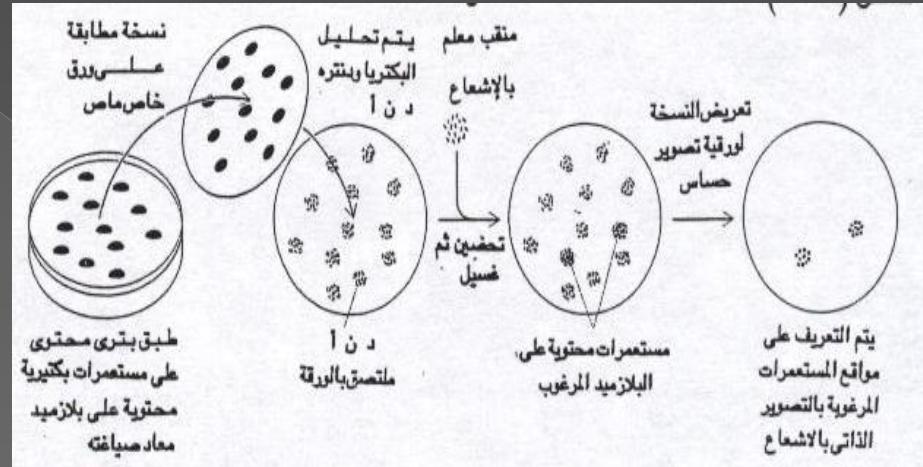
# الترهجين مع منقب معلم بالإشعاع Radioactive Probe:

- عبارة عن نوع من الترهجين في الموضع *In situ* hybridization الذي يعتمد على خاصية تزاوج القواعد المكملة في جزيئات الأحماض النووية
- يستخدم في هذه التقنية منقب معلم بالإشعاع

# للتعرف على الكلون المحتوى على الجين المرغوب

- نقل أطباق المزرعة المحتوية على المستعمرات البكتيرية النامية على قطعة من ورق الترشيح
- يتم معاملة المستعمرات الملتصقة والتي تعرف بالنسخ المطابقة Replicas بالقلوي لتفكيك الخلايا وفصل سلسلتي ال DNA للبلازميد تمهيدا لتجينها مع المنقب

- يتم تحضيرها مع منقب مشع من DNA يحتوي على جزء من تتابع الجين المستهدف كما في الشكل
- يتم تحديد المستعمرات التي استجابت للتهجين بالتصوير بالأشعاع الذاتي.



## طريقة نقل النحوة المطابقة Replica Plating

● لمعرفة وعزل المستعمرة البكتيرية التي تحتوي على كلون DNA تعمل نسخة مطابقة بضغط ورقة ترشيح ماصة على سطح البيئة ثم تعامل النسخة المطابقة بالقلوي (لتفكك وتحليل الخلايا وفتحها ودلتراة DNA البلازميد) ثم التهجين مع منقب من DNA عالي الإشعاع ويتم تحديد المستعمرات التي استجابت للتهجين بالتصوير بالإشعاع الذاتي

# المنقب:

- عبارة عن شظية من DNA أو RNA معلمة بالفوسفور المشع (P32) يمكن استخدامها لاستكشاف المكتبات الوراثية بحثاً عن جين نوعي أوجزيء cDNA المنسوخ أو للتعريف الكمي لتابعات من DNA أو RNA التي يتم فصلها
- يمكن استخدام c DNA الذي تم بناؤه على قالب نوعي من m RNA لمسح مكتبة c DNA المنسوخ بحثاً عن قطع أكبر من c DNA أو لمسح مكتبة جينوم لاستكشاف والتعرف على تابع مكمل في المنطقة المشفرة للجين

# طريقة تحضير المنقيات:

- تمييز البروتين المستهدف بالطرق البيوكيمائية وتنقيته بكميات صغيرة وحتى لو تم الحصول على ميكرو جرامات قليلة من البروتين النقي فإنها ستكتفي لتحديد تتابع الثلاثين حامض أميني في سلسلة متعدد الببتيد وبمعرفة هذا التتابع يمكن معرفة التتابع الموازي للقواعد النتروجينية باستخدام معلومات الشفرة الوراثية

● بناء مجموعتين من سلاسل DNA القصيرة الطول (الأوليго) والتي يتكون كل منها من حوالي (٢٠) نوكليوتيد . ويتم البناء بالطرق الكيماوية ويتم تعليمها بالإشعاع ( $P_{32}$ ) وتحتار مجموعتي DNA المنق卜 لتزاوج مع أجزاء مختلفة من التتابعات الجينية المتباينة

**سلسلة معروفة تتبع بالنسبة للأحماض الأمينية**

H<sub>2</sub>N---Gly Val Arg Met Asp Thr Asn Tyr Glu Pro Leu Ser Thr Trp Glu Met Asn Glu Trp Phe Val Arg Ala---COOH

**الكرومات المحتلة**

GGA GUA AGA AUG GAC UGG AAC UAC GAA CCA UUA AGC ACA UGG GAA AUG AAC CAA UGG UUC GUA AGA GCA	3	
GGC GUC AGG      GAU      AAU UAU GAG CCC UUG AGU ACC      GAG      AAU CAG      UUU GUC AGG GCC		
GGG GUG CGA	CCG CUA UCA ACG	GUG CGA CGG
GGU GUU CGC	CCU CUC UCC ACU	GUU CGC GCU
CGG	CUG UCG	CGG
CGU	CUU UCU	CGU

مناطق التتابعات

الشارة المحتوية

مکالمہ اقل خطا

34

اویس جونپو گلند

三六四

100

$$\text{AUGGAA}^{\text{C}}_{\text{U}} \text{UGGAA}^{\text{C}}_{\text{U}} \text{UA}^{\text{C}}_{\text{U}} \text{GA}^{\text{A}}_{\text{G}} \text{CC}$$

$$\text{UGGGAG}^{\text{A}} \text{U} \text{GAA}^{\text{C}} \text{U} \text{CA}^{\text{A}} \text{G} \text{UGGUU}$$

احتمالات

## اختيار مناطق معروفة فيها تابع الأحماض الأمينية

• نختار التتابعات المحتوية على أقل احتمالات خطأ ، وبعد إنتاج السلسل القصيرة يتم تعليمها بالإشعاع لاستخدامها كمنقب فيما بعد والمستعمرات التي يمكنها تكوين هجين من لا المجموعتين مع منقبات DNA تكون لديها فرصة أكبر لأن تحتوي على الجين المرغوب ويتم الاحتفاظ بها لتعريفها واستخدامها

# تعليم DNA المنقبات مخبرياً بالإشعاع:

- **الطريقة الأولى:** وفيها يستخدم إنزيم بوليميراز (DNA polyl) المستخلص من بكتيريا القولون لإدخال عدد كبير من النيوكليوتيدات المعلمة بالإشعاع ( $\text{P}^{32}$ ) في كل جزئ DNA مما يؤدي إلى الحصول على منقب مشع جداً من DNA الذي يستخدم في تقنية تهجين الأحماض النووية.

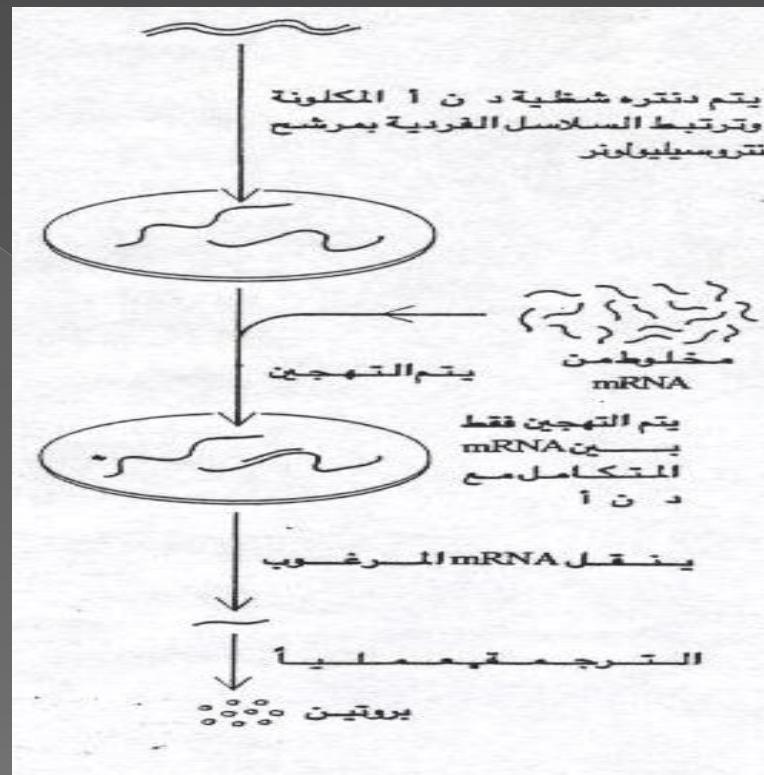
- **الطريقة الثانية :** تعتمد على استخدام إنزيم بولي نيوكلويوتيد كيناز Polynucleotide Kinase لنقل مجموعة فوسفات واحدة مشعة ( $P_{32}$ ) من جزئ ATP إلى النهاية ٥ في كل سلسلة
- جزيئات DNA الناتجة من هذه الحالة لا تصلح عادة للاستخدام كمنقبات نظراً لعدم احتوايتها على قدر كاف من الإشعاع . تكون مفيدة جداً في تحديد تتابعات قواعد DNA

# استخدام طرائقتين انزيميتين لتشعيع جزيئات DNA

- (أ) يقوم أنزيم بلمرة A DNA بتعليم جميع النيوكلييدات في جزئ DNA وبذلك تنتج منقبات من DNA عالية الإشعاع
- (ب) يقوم أنزيم بولي نيوكليلوتيد كينيز بتعليم النهايات 5° فقط من سلاسل DNA، فعندما يكون التعليم متبعاً بالقطع المحدد بأنزيمات القطع فإنه يمكن الحصول بسهولة على جزيئات DNA محتوية على النهاية 5° معلمة.

# استخدام الترجمة المخبرية: In Vitro Translation

- Ⓐ أدق من الطريقة السابقة لتسهيل التعرف على DNA
- Ⓑ كل شظية مكلونة من DNA مرشحة للاستخدام في تنقية جزيئات mRNA المكملة لها من مخلوط من mRNA الخلوي بعملية تسمى انتخاب المهجين
- Ⓒ فصل كمية وفيرة من شظايا DNA إلى سلاسل مفردة وثبتت على مرشح النيتروسيليولوز الذي يستخدم لاختبار جزيئات mRNA المكملة بتهجين RNA - DNA كما في الشكل



تقنية انتخاب الـهجين

- يتم نقل جزيئات mRNA النقية من على ورقة الترشيح بتعريفها بالظروف تؤدي إلى انفصال سلسلتي الهجين في الحلزون (RNA/DNA)
- يستخدم mRNA الذي تمت تنقيتها لتوجيه بناء البروتين في أنبوب الاختبار خارج الخلية باستخدام أحماض أمينية مشعة.
- يتم التعرف على البروتين الناتج المعلم بالإشعاع ويقارن بالبروتين المتوقع إنتاجه بواسطة هذا DNA

● اختبار المطابقة في هذا الاختبار أساس لاستنتاج أن شظية ما من DNA تشفر لبروتين معين يتم استخلاص القطع المهجنة واستخراج DNA منها بكميات كبيرة بعد أن يتم التعرف على المستعمرات البكتيرية التي تحتوي على البلازميد المهجن وتنقل إلى طبق مغذي جديد لكي تستمر بالتكاثر وبالتالي هذه البكتيريا سوف تحتوي على البلازميد المهجن وبذلك تنتهي عملية النسخ وبعد ذلك يمكن استخلاص قطع DNA التي تحوي المورث الغريب

- يستفاد من هذه القطع المنسوخه بالقيام بالعديد من البحوث او اجراء التجارب عليها
- يمكن استخدامها في انتاج مكتبة الـDNA أو محاولة استنساخ أو معرفة التسلسل النووي للقطعة
- يمكن تحويل هذه العمليه بحيث يحتوي البلازميد على قطعه من cDNA المنسوخ المرتبطة مع المشجع لإنتاج البروتين بدلا من DNA في المراحل الأخيرة من الزراعة وهذه الطريقة تستعمل في انتاج بعض الهرمونات كهرمون النمو

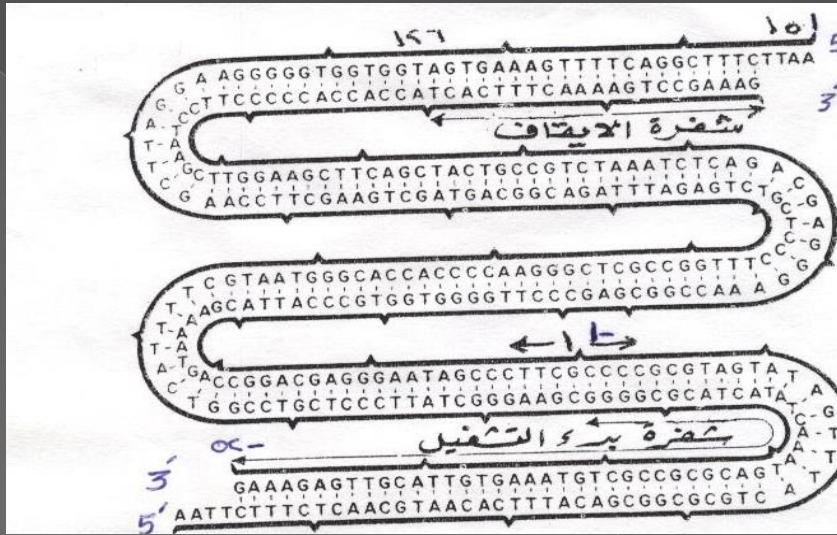
# التسيل باستخدام طرق صناعية

- الطريقة الكيميائية .
- الطريقة الانزيمية .
- التسيل السريع للمورث (سلسلة تفاعل إنزيم البلمرة)

# تركيب المورث بالطريقة الكيميائية

- المبدأ : معرفة تسلسل النيوكلويوتيدات التي يتركب منها المورث
- باستخدام هذه الطريقة تم تركيب مورث tRNA الناقل للألينين عند الخميرة
- يتكون من (77) زوج من النيوكلويوتيدات

● تركيب شظية من DNA للعصية المعاوية تحوي مورث tRNA الناقل للتيروزين بطول ١٢٦ / زوج من النيوكليوتيدات وربط به شيفرة بدء التشغيل (بروموتور) والمؤلف من ٥٢ / زوج من النيوكليوتيدات وكودونات الإيقاف



بنية شظية الـ-DNA (مورث TRNA) للتirozین المركبة كيميائیاً والفعالة وظیفیاً للعصیة المعنیة الأرقام - ترقيم للنيوكليوتیدات ، شیفرة بدء التشغیل (المشجع) من ٥٢ حتی-١ ، مورث TRNA للتiroزین المثبط من ١٢٦-١ ، وشیفرة الإيقاف من ١٤٧-١٢٧ ، وعلى نهایات الشظیة نیوكليوتیدات رباعیة TTAA ، AATT .

# تركيب المورث بالطريقة الإنزيمية

## Enzymatic method

- المبدأ هو بناء cDNA المنسوخ (التكمييلي) على قالب من mRNA باستخدام إنزيم النسخ العكسي.
- يجري في الأنوب استنساخ خيط ال DNA على قالب من جزيئات mRNA

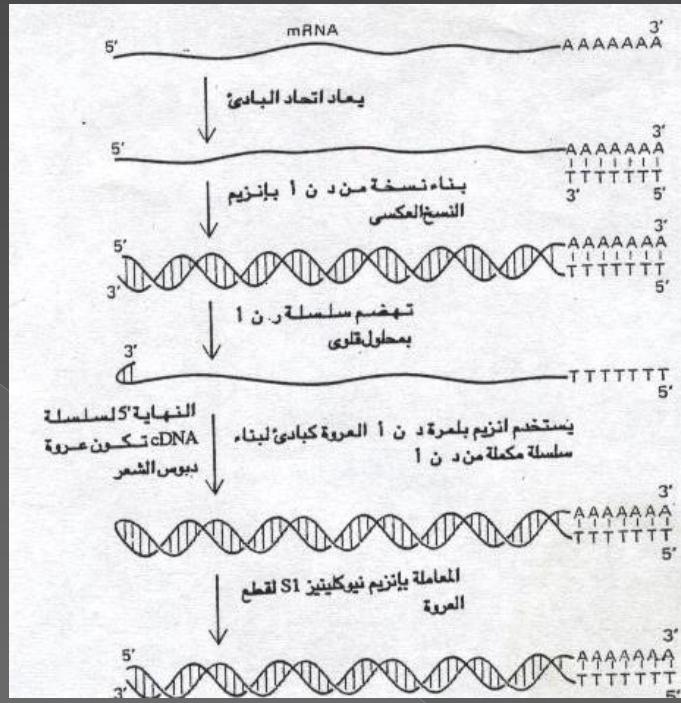
ولتركيب المورث بهذه الطريقة لابد من توفر المواد التالية:

- جزيء RNA m المشفر من قبل المورث الطبيعي المراد استنساخه.
- محلول لكل النيوكلويوتيدات منقوصة الأوكسجين ثلاثية الفوسفات
- أنزيم الانتساخ العكسي المعزول من أي فيروس مولد للورم.
- شوارد الماغنيزيوم  $Mg^{++}$  (أحياناً المنغنيز)
- يضاف لتسريع التفاعل جزيئات ليست كبيرة تتألف من (٨-١٠) مكررات الثايمين
- أنزيم تكتيف 1- DNA (بوليميراز-١).
- أنزيم نيوكلينير ١.

## وتم عملية البناء على الشكل التالي:

- تستخرج جزيئات RNA m لمورث الغلوبين ، على النهاية 3' لهذه الجزيئات ، تتحد تكرارات الأدنين ، التي تقود إلى ظهور مكررات التايمين المحرضة على الاستنساخ على شكل تتابع أزواج (A-T) ، بعد ذلك يبدأ الانتساخ العكسي باستعمال النيوكليوتيدات منقوصة الأوكسجين ثلاثة الفوسفات . وبإضافة إنزيم الانتساخ العكسي الذي عزل من فيروس ميوبلاستوز الطيري ،

- عند انتهاء عملية انساخ خيط DNA على قالب  $m\text{RNA}$  فإن مركب  $\text{RNA-DNA}$  يعامل بالقلوي  $m\text{RNA}$  أو بالريبيونيكلياز لكي يتم تحرير  $m\text{RNA}$  عن  $\text{DNA}$



## تركيب مورث الغلوبين

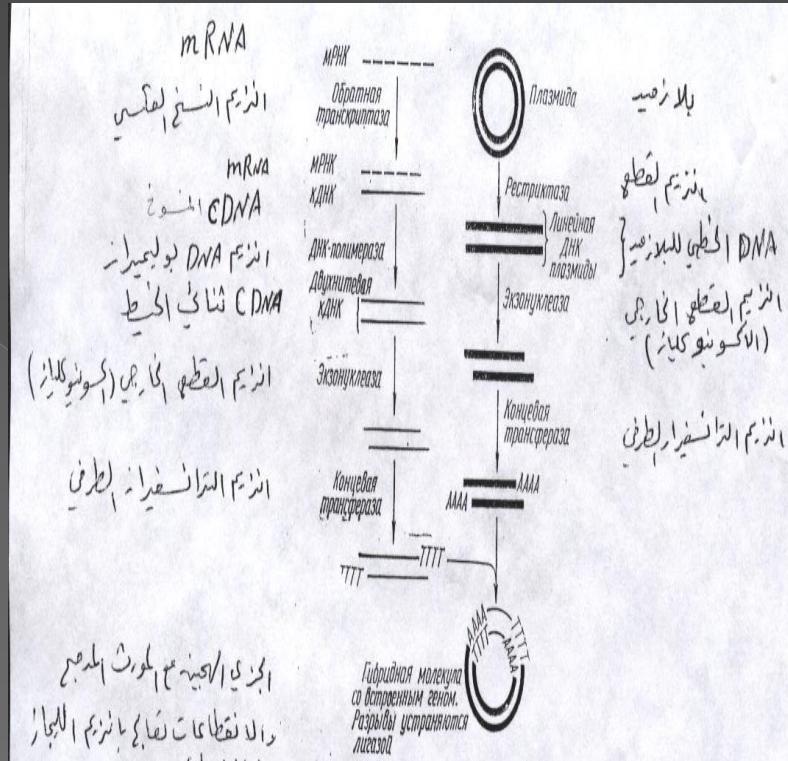
# بالطريقة الإنزيمية بناء DNA المنسوخ cDNA

- تكوين نسخة من cDNA على قالب من RNA باستخدام إنزيم النسخ العكسي بحيث يتكون هجين RNA / DNA
- يعامل المهجين بمحلول قلوي للتخلص من سلسلة RNA ثم يتم بناء نسخة DNA المكملة لسلسلة DNA باستخدام إنزيم بلمرة DNA

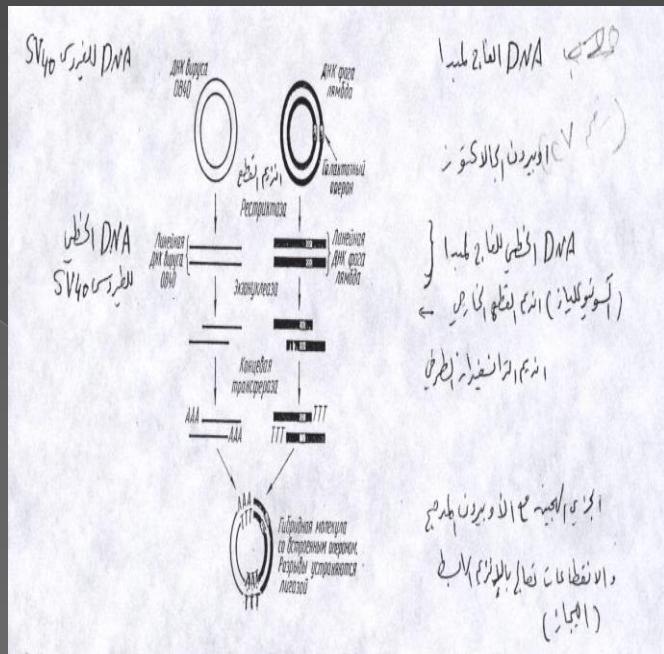
- سوف نحصل على سلسلة أحادية من DNA لمورث الغلوبين التركيبي ، وبعد التركيب التكاملي نتيجة استخدام إنزيم بلمرة DNA تتشكل السلسلة الثانية لـ DNA وبذلك يتشكل جزيء DNA ثبائي السلسلة المطابق للمورث الطبيعي للغلوبين المأخوذ من كروموسوم الأرنب والذي يسمى cDNA
- الموراثات المركبة بهذه الطريقة تشبه إلى حد كبير الموراثات الطبيعية التركيبية المطابقة لـ mRNA الذي استخدم ك قالب لبناء cDNA

● المورثات المركبة بهذه الطريقة لا تحوي في تركيبها الأجزاء المنظمة (بروموتور أو ما يسمى المشجع الخ) ولا تحوي أساساً معدلة ولذلك فهي غير نشطة وظيفياً لذلك لا بد من الحصول أولاً على نسخة DNA ليس من mRNA ولكن من طليعة mRNA (npo - mRNA)

- تم التوصل إلى نجاحات أولية في هذا الاتجاه إذ تم تركيب نسخ صناعية لبعض المجينات الفيروسية
- تم في مخابر الدول المختلفة تركيب مجموعة من المورثات بهذه الطريقة بأقل جهد وأكثر سرعة مقارنة مع الطريقة الكيميائية
- المورثات المحضرة بهذه الطريقة على سبيل المثال - المورثات التي تشفّر لغلوبين كل من الإنسان ، الأرنب ، الفار ، البط ، الحمام - الغلوبين المناعي للفار - مورث بروتين عدسة العين للثور - الخ ....



## التركيب الانزيمي للمورث وإدماجه في البلازميد الناقل



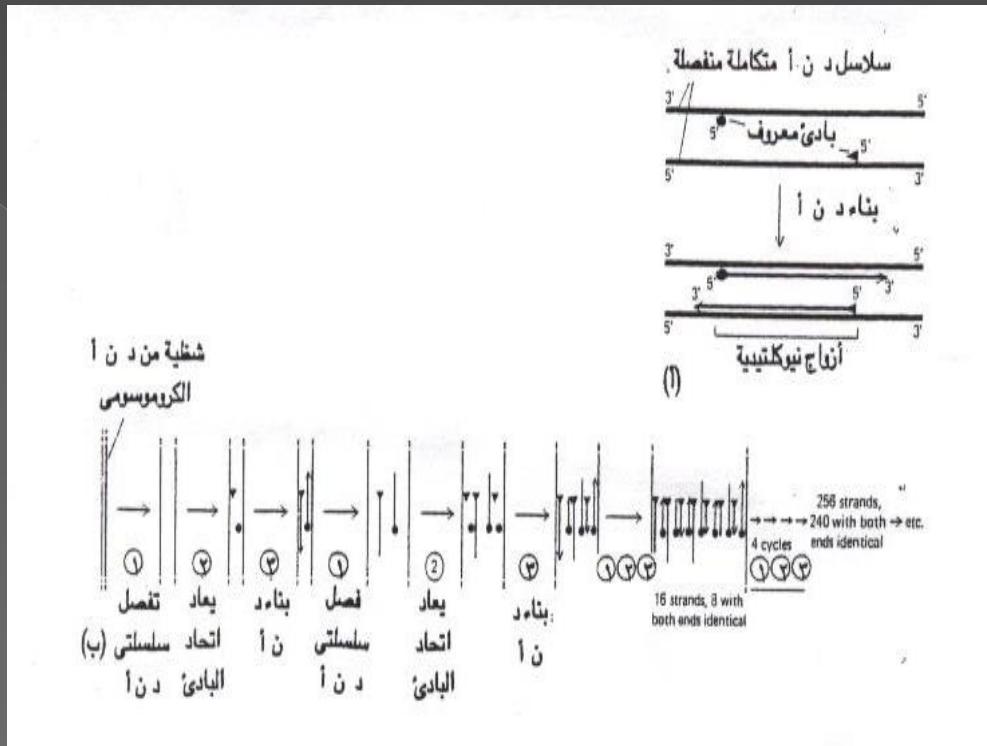
الشكل : يمثل إدماج اوبيرون الجلاكتوز للعصية المغوية في **DNA SV 40** الفيروس المستعمل كناقل (من اليسار - تحول **DNA** الحلقي لفيروس **SV 40** إلى الحالة الخطية وربط بنهائيات الخيط تتابعت من متعدد الأدنين ) (من اليمين - نفس المعالجة لـ **DNA** لفاج لمبدا الناقل ، الذي يحمل اوبيرون الجلاكتوز للعصية المغوية ، تربط بنهائيات الخيط متعدد الثايمين . وباتحاد كلا الجزيئين ، يتم الحصول على جزيء هجين يحوي **DNA** للفيروس **SV 40** مع اوبيرون الجلاكتوز المدمج فيه)

# Polymerase Chain Reaction) :(PCR

- إن الحصول على أنزيمات بلمرة DNA النقية و بناء DNA بالطريقة الكيماوية قد ساعد على استنساخ تتابعات نوعية من DNA بسرعة بدون الحاجة إلى خلية حية
- هذه التقنية تسمح لأي جزء من DNA مرغوب من الجينوم بالتزايد العددي Amplification إلى حوالي مليون ضعف على شرط أن يكون جزء على الأقل من التتابع النيوكليوتيدي معروف بالفعل

- تستخدم بعض التتابعات المحيطة بالمنطقة المراد إثارها لتصميم سلسلتي بادئ من أوليوجونوكليtidات تركيبية بحيث يكون كل واحدة منها مكملة للقواعد النيوكليوتيدية الطرفية لكل من سلسلتي DNA في الحلزون المزدوج.
- يستخدم جهاز خاص لإنتاج سلاسل نيوكليتية قصيرة (أوليوجونوكليتية) بتتابع نوعي محدد يتكون من حوالي (٨٠) نيوكليتية .

● تستخدم السلسل القصيرة كأدوات لبناء DNA في المخبر بمساعدة إنزيم بلمرة DNA عالي الكفاءة Taq DNA Polymerase (محب للحرارة) وهي تحدد نهايات شطية DNA النهاية المتحصل عليها



طريقة سلسلة تفاعل أنزيم البلمرة (PCR) في الإكثار من تتبع نيوكلتيدي نوعي مخبرياً.

- Ⓐ يتم تسخين DNA المعزل من الخلايا لفصل السلسل المتكاملة ثم يعاد اتحاد السلسل في وفرة من سلسل الأوليجو التي تم بناؤها كيماوياً ليطابق التتابع المعزل بنيوكلتيدات X وتعمل سلسل الأوليجو كبادئ لبناء DNA مخبرياً بمساعدة إنزيم بلمرة DNATaq الذي ينسخ بين التتابعات الواقعه بين سلسل الأوليجو DNA
- Ⓑ بعد عدة دورات تفاعل يتم الحصول على كميات كبيرة من الشظايا الفردية من DNA بطول X نيوكلتيد

# تم كل دورة تفاعل حسب المراحل التالية

- يتم فصل سلسلتي الحلزون المزدوج لجزيء DNA بتعريضه لمعاملة حرارية لفترة وجية (٤٩-٦٩ °م)
- تبريد بطيء (٥٠-٦٠ °م) لجزيء DNA في وجود فائض من سلسلتي الأوليجو DNA (البادئ) مما يعطي فرصة للتهجين النوعي لهما مع التتابعات المكملة على سلسلتي DNA

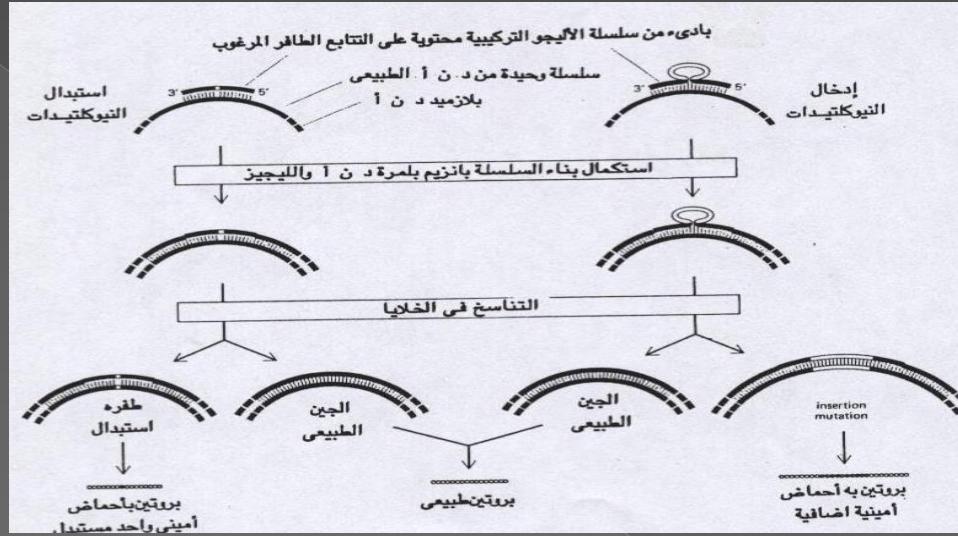
- يتم تحضين المخلوط المعاد اتحاده مع إنزيم بلمرة في وجود وفرة من النيوكليوتيدات الأربع DNA , dC , dT , dG , dA حيث يتم البناء النوعي لمناطق DNA التي تلي منطقة البادئ
- إجراء (٣٠-٣٠) دورة وتؤدي كل دورة إلى مضاعفة كمية DNA المبنية في الدورة السابقة لها وتحتاج كل دورة إلى حوالي خمس دقائق

- وتسمح الطرق الأوتوماتيكية باستنساخ DNA خارج الخلية لشظية من DNA في ساعات قليلة
- طريقة PCR حساسة جداً إذ يمكنها التعرف على جزئ DNA المرغوب في العينة
- ويمكن تحليل كميات قليلة جداً من RNA بطريقة مشابهة بعد تحويلها إلى cDNA المنسوخ (التكمييلي) بواسطة أنزيم النسخ العكسي
- تستخدم في تشخيص الأمراض الوراثية قبل الولادة وللتعرف على المستويات المنخفضة من العدوى الفيروسية كما تبشر بالأمل في مجال الطب الشرعي

## إعادة تصميم الجينات لإنتاج بروتينات تتبعات مرغوبة

- يمكن إعادة ترتيب التتابعات الشفرية للجين وكذلك المناطق المنظمة الخاصة بها لتغيير الخواص الوظيفية للبروتين الناتج أو كمية البروتين التي يتم بناؤها
- يمكن إحداث تغيير كبير في التتابعات الشفرية للجين مثلاً عن طريق إدخال أو دمج جزء منه إلى تتابعات شفرية خاصة بجين آخر مما يؤدي إلى إنتاج جين هجين جديد

- الخطوة الأولى في هذه التقنية عبارة عن البناء الكيماوي لجزيء قصير من DNA المحتوي على التتابع النيوكليوتيدي المسؤول عن الاختلاف في البروتين الناتج ،
- يتم التهجين بين التتابع القصير لجزيء DNA مع بلازميد DNA أحادي السلسلة محتوياً على التتابع DNA المراد تغييره مع توفير الظروف التي تسمح بتزاوج جزيئات DNA ذات التناظر غير الكامل كما في الشكل



## استخدام سلسلة الـnucleotide الأوليجو التركمية

● يمكن بهذه الطريقة احداث استبدال لأكثر من حامض أميني في نفس الوقت أو يمكن حذف حامض أميني أو أكثر في سلسلة متعدد الببتيد الناتج

● تعمل سلسلة DNA القصيرة كبادئ لبناء DNA بواسطة إنزيم بلمرة DNA مما يؤدي إلى تكوين جزيء DNA مزدوج السلسلة مشتملاً على التتابع المتغير في الجين ويتم إدخال الجين المحور أو المعدل في ناقل التعبير حتى يمكن إنتاج كميات كبيرة من البروتين المستحدث .

- يمكن استعمال هذه الطريقة لتحديد الأجزاء من الجين المسؤولة عن تنظيم التعبير في مميزة النواة
- تم الحصول على معلومات جديدة وهامة عن تركيب المجين ونقل المعلومات الوراثية كما تم زيادة في إنتاج البروتينات العلفية والفيتامينات والمضادات الحيوية ومواد أخرى فعالية حيوياً من قبل الميكروبات

- للهندسة الوراثية أفاق واسعة في الحياة العملية كما أنها ستساعد على إيجاد طرق لتشخيص وعلاج الأمراض الوراثية عند الإنسان
- هناك مرض وراثي يتصف بزيادة تركيز الحمض الأميني الأرجينين في الدم
- تشخيص المرض بشكل مبكر عند الأطفال
- إدخال فيروس شوبا الغير ضار إلى الجسم والذي يحوي المورث الذي يتحكم بتحليق إنزيم الأرجيناز الذي يساعد على تمثيل الحمض الأميني الأرجينين

• الهندسة الوراثية يمكن أن تؤدي إلى نتائج خطيرة على الإنسان وبشكل خاص التجارب التي يمكن أن تقود إلى ظهور أشكال من البكتيريا الممرضة المقاومة للمضادات الحيوية والعقاقير الأخرى وأيضاً التجارب على الفيروسات التي تسبب الأورام الخبيثة .

شكرا لاصغائكم