



جامعة حماة
كلية الصيدلة
السنة الخامسة

مقرر التقانة الحيوية

المحاضرة الثامنة

اعداد : ابتسام جرجنازي
إشراف : د. ظلال قطان



استخدام تقانة الحيوية في تشخيص الأمراض الجرثومية والفيروسية

إن طرق تشخيص الأمراض الجرثومية التقليدية (الزرع الجرثومي - الاختبارات الكيميائية الحيوية (نظام API 20E)) لم تعد دقيقة النتائج لذلك يجب استخدام تقانات جديدة يمكنها الكشف عن العامل الممرض (أو أكثر من عامل ممرض) في نفس الوقت وبدقة كبيرة وذلك على مستوى المادة الوراثية التي تشكل بصمة تميز كل كائن عن آخر حيث لا مجال للتشابه أو النتائج المغلوطة، وسنستعرض عدة أنواع لتفاعل البوليمراز التسلسلي التقليدي PCR .. وسنبداً بتذكرة عنه.

أولاً: تفاعل البوليمراز التسلسلي التقليدي PCR Polymerase chain reaction PCR:

يعتبر تفاعل ال PCR من أهم التطورات النوعية في ثمانينيات القرن الماضي حيث سمح بتضخيم قطع معينة من الدنا وإنتاج ملايين النسخ منها وساهم في الكشف عن الأمراض الوراثية وتفرغ عنه الكثير من التقانات الأخرى.

يعتمد مبدأ التضخيم على :

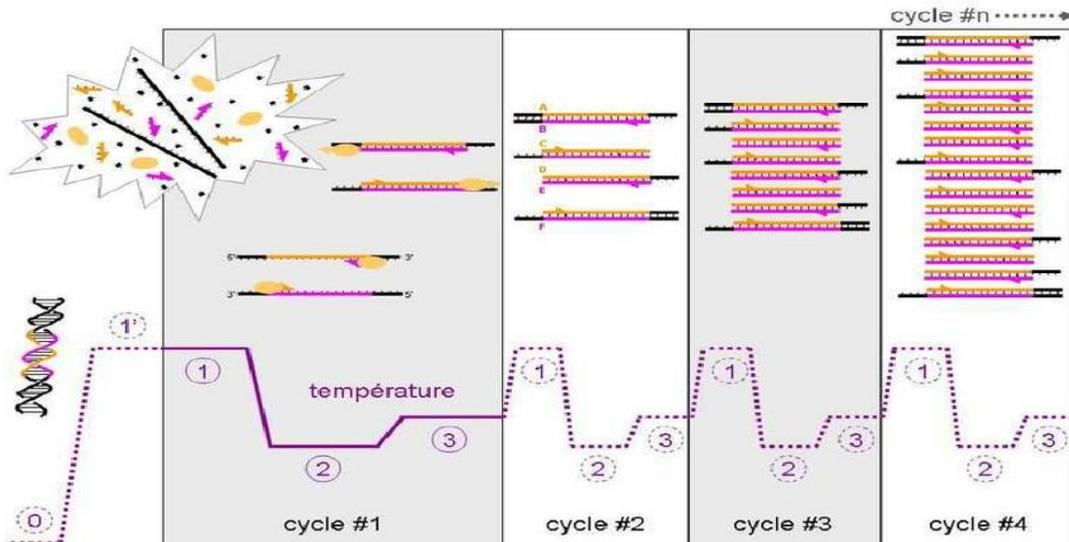
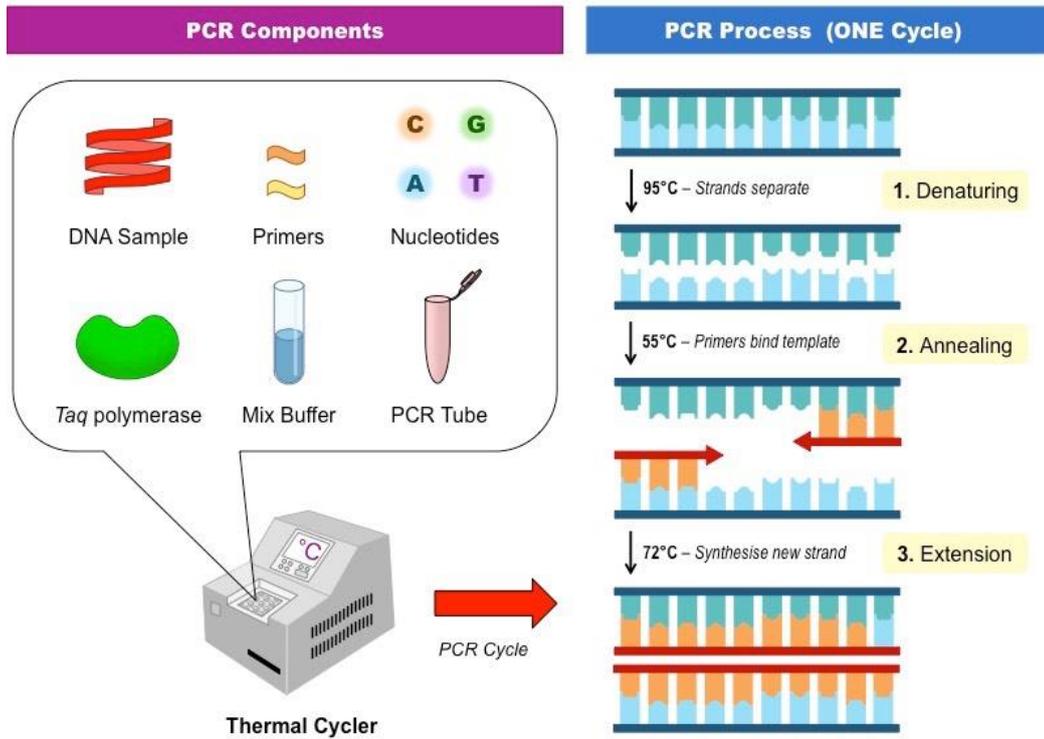
- 1- فصل سلسلتي الدنا الأصليين حيث تصبح كل واحدة منها قالباً لاصطناع سلسلة متممة لها.
- 2- استخدام البودئ Primers النوعية الخاصة للتتالي المراد تضخيمه حيث ترتبط بالتسلسل النكليوتيدي المتمم لها .
- 3- يقوم أنزيم DNA polymerase بإضافة النكليوتيدات المتممة للقالب (مع العلم أنه يستخدم نوع من أنزيمات البلمرة المستخلص من جراثيم (المستحرة المائية) thermos aquaticus المسمى Taq DNA Polymerase .
- 4- يحدث التفاعل بشكل متوالية هندسية تنتج ملايين النسخ من القطعة المطلوبة في غضون ساعات.

ويتألف تفاعل PCR من ثلاث خطوات أساسية تشكل جميعها مايسمى دورة حرارية thermocycle:

- 1- فصل سلسلتي الدنا المراد تضخيمه بدرجة الحرارة (94-95) درجة مئوية وتسمى هذه المرحلة بالذنترة أو التمسخ Denaturation .
- 2- ارتباط البودئ primers بالتسلسلات المتممة لها على درجة حرارة (50-60) تعتمد درجة الحرارة في هذه المرحلة على البرايمر المستخدم . وتدعى مرحلة ارتباط البودئ Annealing.

٣- مرحلة الإطالة Extension حيث تتم في درجة حرارة (٧٢-٧٥) وتتضمن رصف النكليوتيدات المتمة لتسلسل الدنا القالب وذلك بواسطة أنزيم البلمرة Taq DNA polymeras.

بعد الانتهاء من التفاعل تفصل شدة الدنا الناتج عن التضخيم باستخدام الرحلان الكهربائي الذي يعتمد على شحنة الدنا السالبة التي تسمح له بالعبور من القطب السالب إلى الموجب عبر هلامة (أغاروز - بولي أكريل أميد) مع ترحيل العيارات في نفس الوقت (الدنا العياري (DNA Ladders)) الذي يتألف من قطع دنا معروفة الأحجام مسبقاً ويمكن عن طريقها مقارنة حجم قطع الدنا الناتج عن تفاعل .pcr

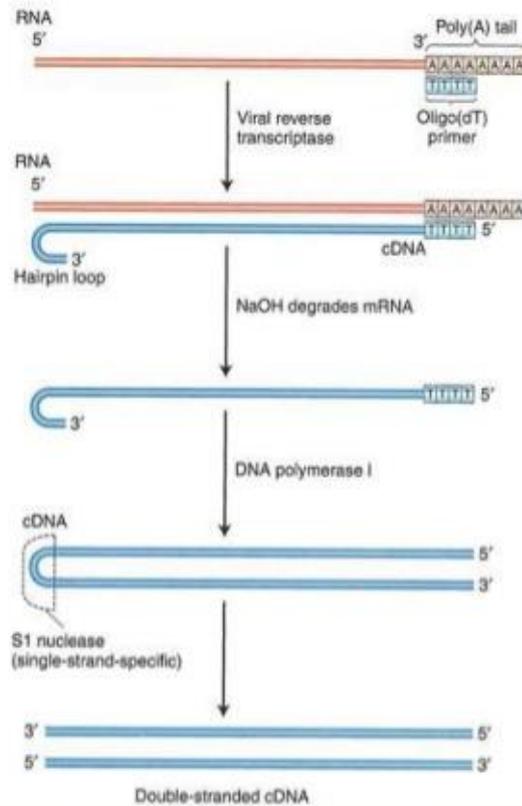


ثانياً: تفاعل البوليمراز التسلسلي بالنسخ العكسي

Reverse Transcription RT-PCR

- هو أحد تفاعلات الـ PCR التقليدي لكن المادة الوراثية المستخدمة هي $m(RNA)$ بدلاً من الـ DNA.
- يعتمد هذا التفاعل على مايلي:
- وجود عديد الأدينين Poly A في النهاية 3 لجزيء الرنا المرسل.
- استخدام برايمر مؤلف من عديد الثايمين Poly T .
- استخدام أنزيم النسخ العكسي، المستخلص من الفيروسات القهقرية.
- ينتج لدينا مايسمى Complementary DNA (cDNA)
- باستخدام برايمرات نوعية يتم بناء السلسلة المتممة للقالب بواسطة أنزيم دنا بوليمراز ..

cDNA from mRNA



تطبيقات RT-PCR

- التحري عن جزيئات الرنا الفيروسي في مصل الأفراد الذين يشك بإصابتهم بفيروس معين كفيروس الإيدز، إذ يستخلص الرنا من بلاسما الدم ومن ثم يجري تفاعل RT-PCR ويرحل ناتج التضخيم ويقارن مع عينات شاهدة غير مصابة.

ثالثاً: تفاعل البوليمراز التسلسلي اللحظي والكمي

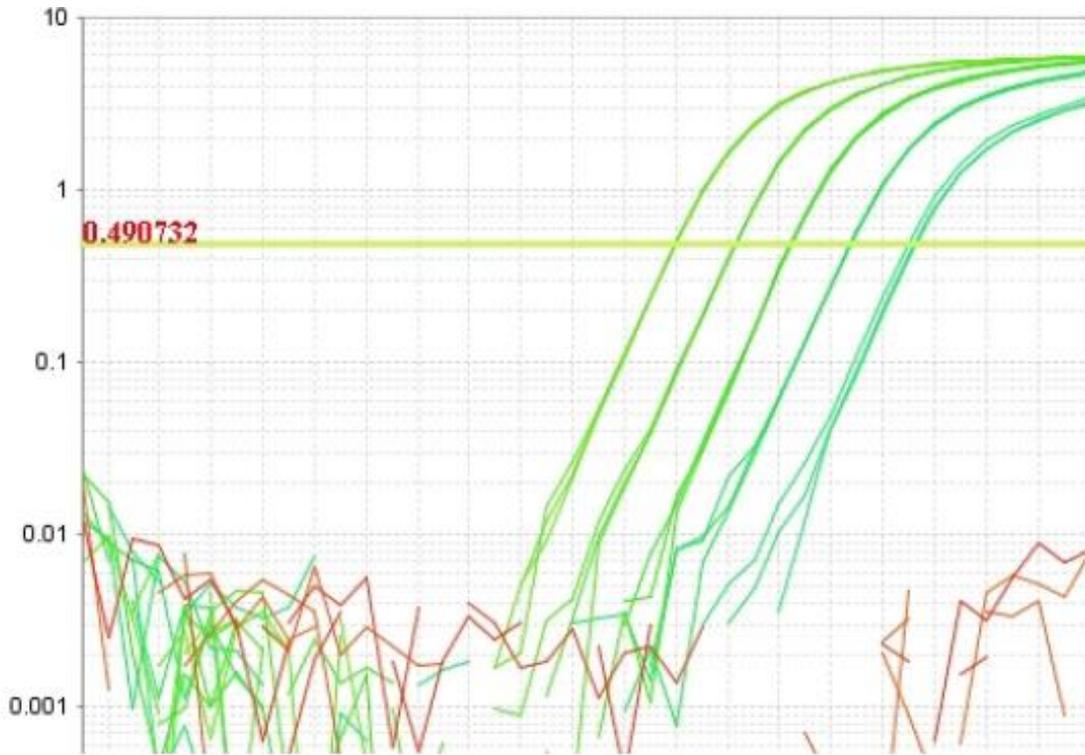
quantitative real time pcr q-PCR

- تكمن المشكلة الأساسية في تفاعل ال PCR التقليدي بأنه يخضع للتنشيط بعد عدد معين من دورات التضخيم مما لا يمكن من تحديد عدد النسخ البدئية بشكل دقيق ، لأجل ذلك أجري تعديل على تفاعل PCR التقليدي بقياس تراكم منتجات الدنا المضخم بشكل لحظي و كمي خلال الطور الخطي للتفاعل الأنزيمي وليس في نهاية التفاعل .

تطبيقات q-PCR

- إضافة إلى تحديد العدد البدئي لجزء دنا محدد (فيروسى أو جرثومى) فإن التطبيقات المهمة لتفاعل q(PCR) هي قياس الفرق في التعبير الجيني لجين ما في مجموعتين خلويتين مختلفتين ، مثل استخدام الفارق في التعبير الجيني لإحدى الجينات الورمية بين خلايا الثدي السليمة والسرطانية ، الأمر الذي لا يمكن إجراءه بتفاعل PCR تقليدي، بسبب تراكم عدد نسخ دنا الجين الورمي بعد عدد من الدورات الذي يجعل من الصعوبة تقدير الاختلاف في عدد النسخ الأولية للرنا المرسل الناتج عن انتساخ الجين في عينتين مقارنة.
- تستخدم للكشف عن نواتج التفاعل صبغات مفلورة مثل SYBER GREEN حيث ترتبط بجزيئات الدنا ثنائية الطاق وتزداد شدة الفلورة بشكل طردي مع تشكل جزيئات دنا جديدة نتيجة التضخيم.
- تجري مقارنة العينات عادة بمقارنة مايدعى بالدورة العتبة (CT) Threshold cycle وهي الدورة التي تبدأ فيها نواتج التضخيم بالتراكم فوق مستوى الفلورة البدئي وقيمتها ترتبط بعلاقة عكسية مع عدد النسخ البدئية للدنا مثلاً:

- كلما كان عدد جزيئات الدنا البدئي كبيراً كانت الإصابة الفيروسية كبيرة (أو التعبير عن الجين عالياً) فإن رقم CT يكون منخفضاً.



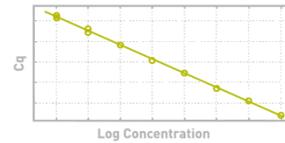
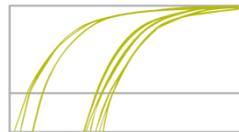
1

>

2

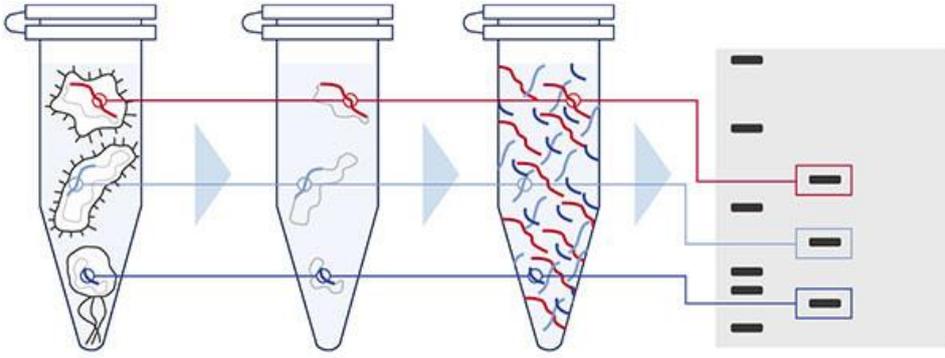
>

3



رابعاً: MULTIPLEX PCR

- نوع خاص من تفاعل PCR يستخدم للكشف عن عدة عوامل إمرضية في آن واحد وفي نفس العينة.
- يجب استخدام عدة برايمرات نوعية خاصة بكل عامل ممرض.
- مثلاً يمكننا الكشف عن وجود فيروس HIV وبكتريا في نفس العينة المرضية وفي تفاعل واحد عن طريق استخدام برايمرات نوعية خاصة بكل عامل ممرض.



تقانات التهجين:

تهدف هذه التقانات إلى الكشف عن جزيئات DNA أو RNA أو بروتين باستعمال كواشف موسومة ترتبط نوعياً بهذه الجزيئات بحيث تكون مسابير موسومة في حالتي الدنا والرنا وأضداد موسومة في حالة البروتينات .

وعلى الرغم من اختلاف أنواع الكواشف المستخدمة و طرق التحري ، تجتمع تقانات التهجين على مبدأ ارتباط جزيئي دنا متكاملتين في التتالي النكليوتيدي أو ارتباط بعضهما مع بعض .أو ارتباط ضد مع مستضد وهو ما يدعى بالتهجين ، وهنا تبرز أهمية إلفة الارتباط بين الجزيئين الذي يرتبط بشكل مباشر مع درجة التتام النكليوتيدي بين التسلسلين أو بين الضد والمستضد وعلى تطبيق شروط قاسية من الغسل

للتخفيف من الارتباطات غير النوعية بين الجزيئات ضعيفة الإلفة وغير المتمتامة بشكل كلي في تسلسلاتها النكليوتيدية.

من أهم هذه التقانات (BLOTTING) تقانات التتبع وتقانة (MICROARRAYS) المصفوفات الصغيرة، وتقانة التهجين في الموضع ISH أو In situ hybridization .

تقانات التتبع جميعها تشترك بالخطوات التالية:

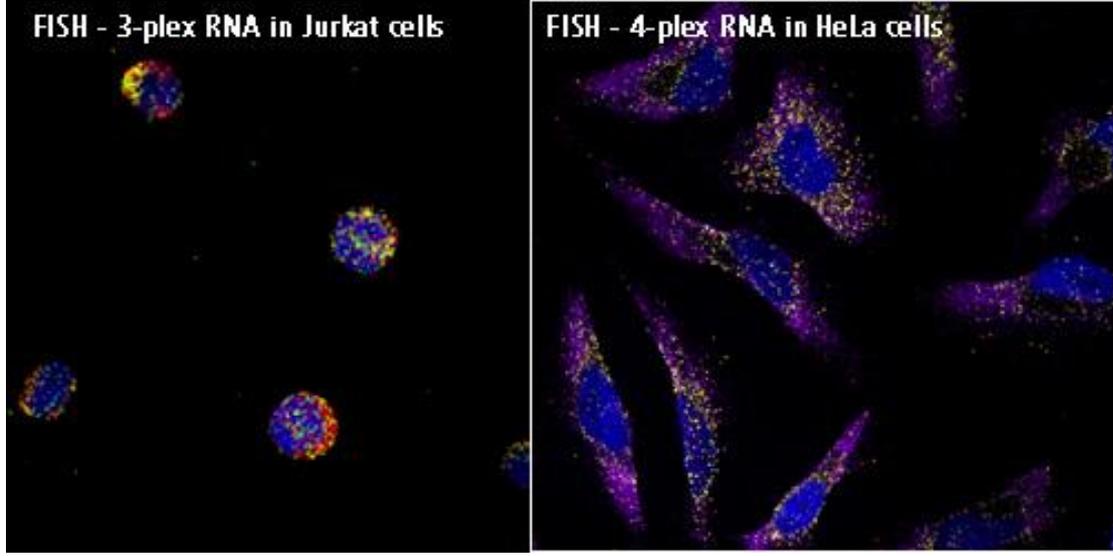
- ١- فصل الجزيئات المراد الكشف عنها بالرحلان الكهربائي في الهلام.
- ٢- نقل الجزيئات من الهلام إلى غشاء من النايلون أو السيلولوز ترتبط به الجزيئات كل بحسب موقعه في الهلامة وهو الخطوة الأساسية في التتبع إذ يترك بذلك كل جزء بصمة في الغشاء بموقع مقابل تماماً لرحلته باتجاه القطب المقابل.
- ٣- تهجين غشاء النايلون أو السيلولوز مع كواشف نوعية موسومة للجزيء أو التالي المراد الكشف عنه.
- ٤- الكشف عن إيجابية التهجين عن طريق مكشافات تتحرى إشارة الومس في الغشاء.

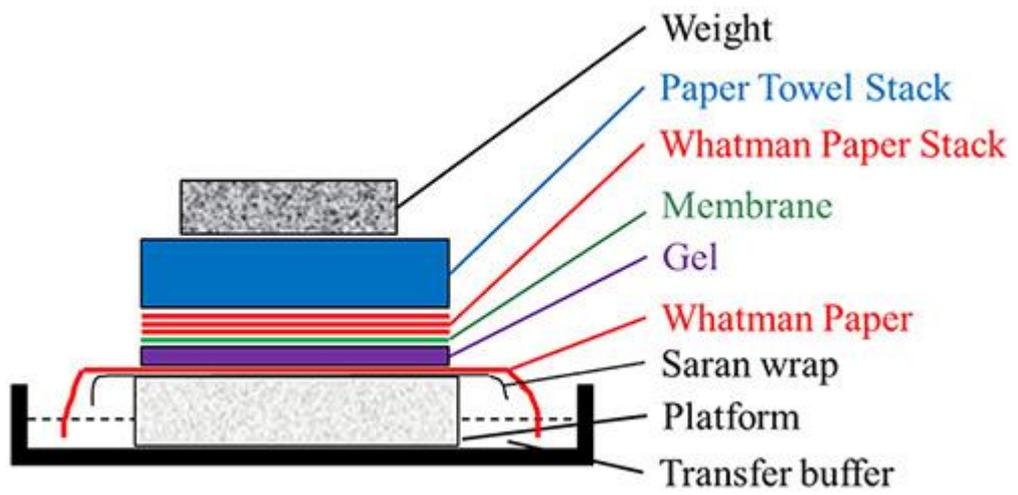
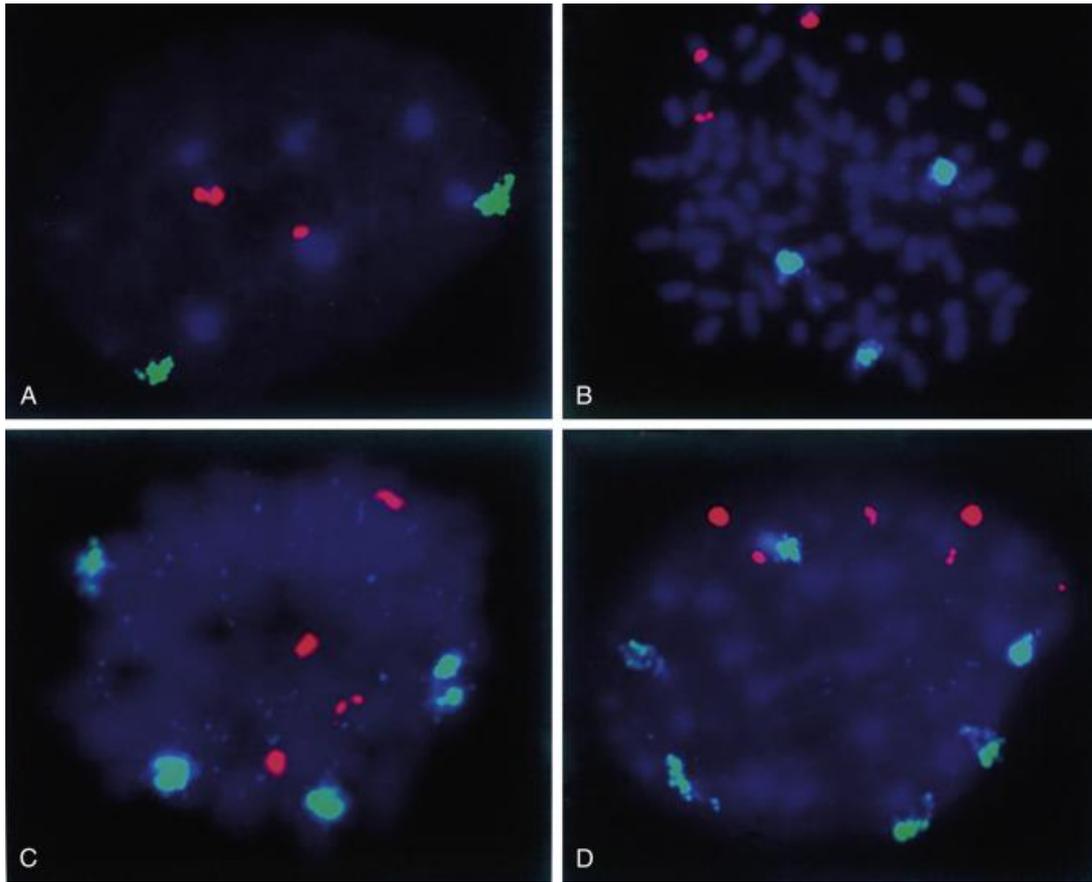
للتتبع ثلاثة أنواع تدعى بأسماء لا تخلو من الطرفة سميت الأولى بتتبع ساوثرن southern blotting التي أسسها العالم ED sothern لكشف جزيئات الدنا. بعد سنتين أسس العالم alwine تقانة أخرى للتحري عن الرنا. وسماها بتتبع نورثرن northern وبعد عدة سنوات أسس الباحث burnette طريقة مماثلة لكشف البروتين سماها بتتبع ويسترن western .

- أ- الهدف من تقانة تتبع ساوثرن هو التحري عن الطفرات في الدنا باستخدام مسابير متممة للتسلسل الطافر ترتبط فقط به ، ولا ترتبط بالتسلسل الأصلي غير طافر.
- ب- تعتبر تقانة تتبع نورثرن مهمة في مقارنة مستوى التعبير الجيني بين الخلايا لجين يكثر أو يقل التعبير عنها في شروط معينة (الخلايا نفسها قبل وبعد الحضان مع محفز معين) أو خلايا مختلفة (خلايا طبيعية أو سرطانية).
- ت- يستخدم تتبع ويسترن للكشف عن وجود البروتينات في خلاصات خلايا أو نسج معينة كما يمكنه الكشف عن فعالية هذا البروتين في حال استخدمت أصداد نوعية فقط للبروتين الفعال ولا ترتبط بالبروتين غير الفعال.

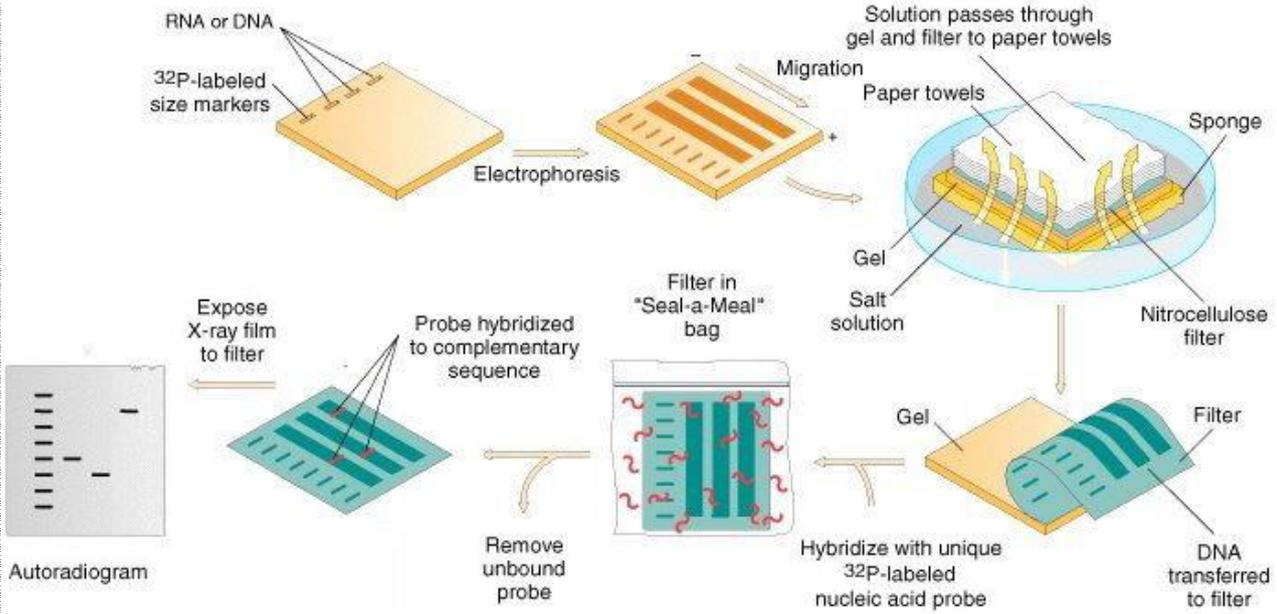
ث- التهجين التآلقي في الموضع (FISH) fluorescent in situ hybridization : يمثل التهجين في الموضع تقانة مميزة تتداخل من خلالها التقانات الحيوية الجزيئية والنسجية لدراسة

التركيب والتعبير الجيني في مقاطع النسيج والمحضرات الخلوية يمكن بواسطتها تحديد مواقع نوعية للدنا والرنا في نوى الخلايا ، تتضمن الطريقة تفاعل تهجين بين مسبار نكليوتيدي موسوم وتتالي نكليوتيدي هدف متم له ، ويمكن تحري الهجن إما بالتصوير الشعاعي الذاتي للمسابير الموسومة شعاعيا او باستخدام ملونات نسيجية للمسابير غير المشعة. ولاحقاً تم استخدام الوسم التآلقي غير الشعاعي في نهاية السبعينات من استخدام التهجين التآلقي في الموضوع في مخابر التشريح المرضي كوسيلة تشخيصية جزيئية وطريقة للكشف عن العوامل الممرضة كالجراثيم والفيروسات في المقاطع النسيجية.





تقانة التبقيع



المصفوفات الصغيرة Microarrays:

ظهرت في العقدين الأخيرين المصفوفات الصغيرة كثقانة مهمة في مقايسة التعبير الجيني لعدد كبير جداً من الجينات يصل إلى عدة آلاف في الوقت نفسه. وتعتمد على ربط كثير من شدف الدنا الخاصة بقطع من جينات مختلفة على صفائح زجاجية وبشكل بقع صغيرة . و من ثم تهجينها مع عينات مختلفة وموسومة من الدنا المتمم للرنا المرسل المستخلص من العينة المدروسة وبلي ذلك إجراء قياس كمي لشدة الإشارة الصادرة عن جميع الشدف بما يعكس كمية الرنا المرتبطة بالتسلسلات المتممة لها وخاصة بكل جين منها.

وهكذا يمكن تحديد التعبير الجيني للجينات المرتبطة بأحد أنواع السرطانات في عينة مريض من خلال وسم الدنا المتمم للرنا المرسل المستخلص من هذه العينة بواسطة فلورة معين واستخدام دنا متمم لرنا معياري (من شخص سليم) مرتبط بواسطة فلورة آخر . يتبع ذلك تهجين عيني الدنا المتمم في نفس الوقت مع الصفيحة الحاوية على شدف الجينات المثبتة عليها بحيث ترتبط شدف الدنا المتمم الموسوم بشكل تنافسي مع بقع الدنا يتم بعدها التعبير التفاضلي لجينات معينة بعد تحديد كمية الواسمات المرتبطة في كل بقعة على الصفيحة التي تمثل إحدى تلك الجينات .

تجري اليوم دراسة التبدلات في التعبير الجيني لعدد كبير من الجينات و ربط ذلك مع أمراض عديدة ومتنوعة كالسرطانات والمتلازمات المختلفة .

