

مقدمة في علم البيولوجيا الجزيئية

Introduction of the biology molecular

مقدمة:

الخلايا و البنى الداخلة في تركيبها صغيرة جداً لا يمكن رؤيتها بالعين المجردة أو حتى سمعها أو لمسها. ولكن بالرغم من صغر حجمها فإن أهميتها عالية جداً، حيث أن أعداد هائلة من المقالات العلمية تنشر كل عام بـ عدد هذه الكائنات القزمة الفائقة الأهمية. فالخلايا هي البنى الأساسية لتكوين الكائن الحي وعلاقته مع محیطه . النظرية الخلوية ترتكز على ثلاثة نقاط أساسية :

- كل المتعضيات تتكون من خلية واحدة أو العديد من الخلايا.
- الخلية هي الوحدة البنوية الأساسية للحياة.
- كل الخلايا تنتج من خلايا موجودة بشكل مسبق.

قبل عام 1970، وجد علماء الوراثة صعوبات كبيرة لإجراء الأبحاث على الحمض الريبي النووي المنقوص الأكسجين -DNA، وفي ذلك الوقت كانت معظم الأبحاث تجري على الحموض النووية الريبيوزومية -RNAs وعلى البروتينات. ولكن خلال القرن العشرين توجهت الأبحاث نحو الدراسة على مستوى الخلايا والجزيئات، وقد تم ظهور علم أكثر تطوراً أطلق عليه علم البيولوجيا الجزيئية والتي تتحول معظم أبحاثه حول دراسة تركيب ووظائف جزيئات -DNA عند معظم الكائنات الحية، ويتناول أيضاً دراسة التغيرات الجزيئية التي تظهر على جزيئات -DNA و مدى انعكاساتها على وظائفها.

يمكن تعريف علم البيولوجيا الجزيئية بأنه العلم الذي يدرس الجزيئات الخلوية والآلية الوظيفية والتغيرات الجزيئية، وعلاقة ذلك بالتركيب والتفاعلات والنشاطات الكيميائية - الحيوية المختلفة في خلايا الكائن الحي.

ولابد من الإشارة إلى مساهمة العلوم الأخرى وتطورها واستخدام الأجهزة وتقانات الحديثة المكتشفة في تطور علم البيولوجيا الجزيئية، التي برزت في القرن العشرين مثل: علم الكيمياء الحيوية، علم الخلية، علم الوراثة الخلوية، علم الوراثة الجزيئية وغيرها... ونتيجة لهذا التضاد والتكميل الوثيق لعلم

البيولوجيا الجزيئية والتطور السريع والهائل لوسائل البحث العلمي و التقانات الحديثة، وصل هذا العلم إلى ما هو عليه من أهمية بالغة في العصر الحالي.

ومن أهم الاكتشافات التي قادت إلى اتساع وتطور علم البيولوجيا الجزيئية هو اكتشاف أنزيمات نوعية لها تأثير على الحمض النووي (أنزيمات الاقطاع، أنزيمات الربط، أنزيمات النسخ). ومن التقانات الحديثة (الطرد المركزي المتدرج الكثافة، الرحلان الكهربائي، الـ PCR.....).

يرتبط علم البيولوجيا الجزيئية ارتباط وثيق مع كثير من العلوم الأخرى ومن بينها بيولوجيا الخلية، الإحصاء الحيوي، الكيمياء الحيوية، علم الوراثة الجزيئي. وبالتالي أصبح من السهل تجزيء الـ DNA الكامل إلى قطع صغيرة (مورثات) ودراسة كل مورثة على حدة. ولقد انبثق من علم البيولوجيا الجزيئية علم جديد أطلق عليه علم الهندسة الوراثية Genetic Engineering، الذي يعتمد على مجموعة من التقانات التي تؤدي إلى إضافة Addition أو حذف Deletion أو إصلاح Repair قطع من المادة الوراثية.

من أجل دراسة علم البيولوجيا الجزيئية يلزم منا في البداية معرفة بسيطة عن تطور التقانات التي ساهمت في تفسير الكثير من الظواهر و الآليات الجزيئية لفك كثير من الألغاز الحياتية.

- في عام 1938 أطلق المصطلح العلمي للبيولوجيا الجزيئية لأول مرة.

- في عام 1943 ظهرت نظرية فعل الجين "مورثة لكل إنزيم"، والتي ربطت الكيمياء الحيوية بعلم الوراثة.

- في عام 1944 أثبت كل من Maclyn McCarty و Colin MacLeod و Oswald Avery أن الجينات تتربّك من الحمض النووي الريبي منقوص الأوكسجين RNA، كما تمكّن إيفري ومساعديه من تشخيص الجزيئات الكبيرة الحاملة للمعلومات الوراثية في البكتيريا.

- في عام 1952 برهن العالمان Hershey and Chase أن المادة الوراثية هي الـ DNA وليس البروتين كأساس للمادة الوراثية.

- في عام 1953 اكتشف تركيب الـ DNA من قبل Watson, Crick, Franklin, and Wilkins و وضعوا أول نموذج له.

- في عام 1957 العالم Arthur Kornberg أول من عزل الإنزيم المسؤول عن نسخ الـ DNA.

- في عام 1961 وضع كلاً من العالمين جاكوب ومونود نموذج الاوبرون (operon) لتنظيم التعبير الجيني.

- في عام 1966 فك جونيد خوران ومارشال نيرينبرج رموز الشيفرة الوراثية.

- في عام 1977 تم عزل لأول مرة المورثة المسئولة عن ترميز هرمون المخ الـ Somatostatin البشري وهو هرمون مكون من 14 حمض أميني، حيث أدخلت هذه المورثة في ناقل بلاسميدي قادر على التضاعف في الخلية الجرثومية *Escherichia Coli* (E. Coli) وبهذه الطريقة استطاع العلماء صنع أول خلية جرثومية معدلة وراثياً قادرة على تصنيع هرمون بشري.

- في عام 1983 صمم كاري ميليس جهازاً لمضاعفة المادة الوراثية في المخبر بتفاعل البوليميراز التسلسلي PCR.

- في العام 1997 تم استنساخ النعجة "دولي" من قبل إيان ويلموت. وقد شهدت السنوات الأخيرة من القرن العشرين تقدماً واسعاً في أبحاث الهندسة الوراثية والبيولوجيا الجزيئية وخاصة بعد اكتشاف وتطوير تقنية إعادة التشكيل الوراثي للـ DNA (تقنية تأشيب الـ DNA) على يد العالمين Boyer و Cohen و Recombinant DNA technology وتعتمد هذه التقنية على ربط مورثات تابعة لكتائين مختلفين و تصنيع DNA مؤشب. يدخل الـ DNA المؤشب والمجهز بهذه الطريقة داخل خلية مضيفة من أجل إنتاج منتجات مفيدة للبشرية وبكميات هائلة.

وتطورت التقانات بعدها إلى استخدام الخلايا حقيقة النواة كمصنع حيوية لتصنيع البروتينات البشرية. ومن أهمها الأنسولين، هرمون النمو، عوامل تخثر الدم، اللقاحات وغيرها من البروتينات البشرية التي تنتج بشكل طبيعي ولكن بكميات قليلة جداً. وترافق ذلك بظهور علم جديد أكثر تطوراً أطلق عليه علم التقانة الحيوي الجزيئي و هو بدوره يتناول مجالات بحث عديدة و من أهمها الاستنساخ المورثي، المعالجة المورثية (أي تزويد المرضى الذين يحملون مورثات طافرة بمورثات سليمة).

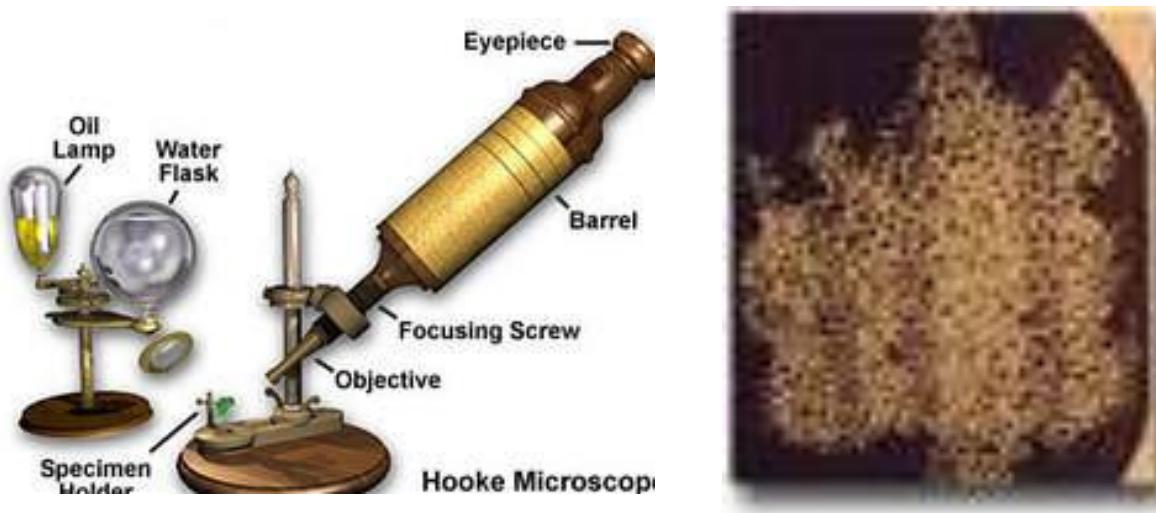
كل هذه العلوم والتقانات الحديثة سهلت تطوير و إنتاج عدد كبير من الأدوية و الجزيئات الضرورية للاستخدام المخبري و البحثي.

علم الخلية:

يتتألف الجسم البشري من ملايين الخلايا، و الخلية هي أصغر شكل من أشكال التنظيم مهيأً للقيام بالأعمال الضرورية لحفظ حالة الحياة وأهمها الاستقلاب و النمو و التكاثر. وفي عام 1665 دخل العالم Robert Hooke لأول مرة مفهوم الخلية ليصف فراغات الفلين التي تذكر ببنية قرص الشمع عند النحل، وذلك من خلال ملاحظة مقاطع من نسيج الفلين بواسطة المجهر الضوئي الذي صنعه بنفسه. وأطلق هو كمصطلح الخلية cell الذي اشتقت من اللاتينية cellula على كل فراغ من الفراغات الموجودة في قطعة الفلين تكون تلك الفراغات تشبه الحجارات التي يقطنها رهبان المعابد.

ومن خلال فحص البنية الداخلية لأنواع كثيرة من الخلايا تمكن البيولوجيين من تقسيم الكائنات الحية ضمن مجموعتين تضم المجموعة الأولى الخلايا بدائية النواة Prokaryotic cell أما المجموعة الثانية

فتشتمل الخلايا حقيقية النواة Eukaryotic cell وتحتوي على هاتان المجموعتين من حيث الحجم و من حيث البنية الداخلية (العضيات) التي تحويها.

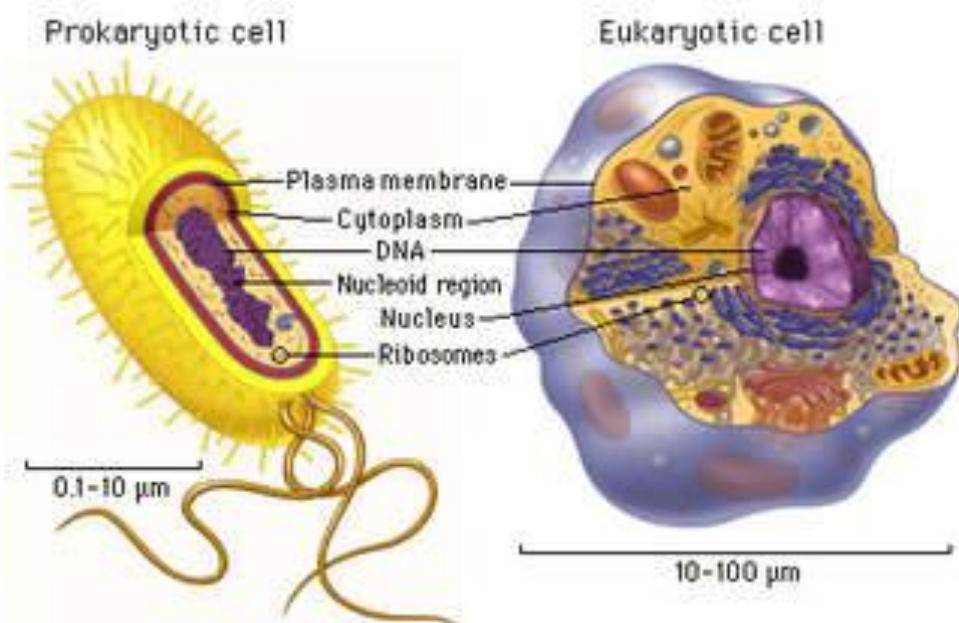


الشكل 1: يظهر على اليسار المجهر الذي صنعه Robert Hooke و على اليمين خلايا الفلين حسب مشاهدة العالم Robert

هناك عدة فروقات بينها مثل:

- 1- النواة في حقيقيات النوى محاطة بغشاء نووي أما في طلائعيات النوى المادة الوراثية تتواجد في سيتوبلasm الخلية في منطقة Nucleoid region.
- 2- تتم عملية الانتساخ و الترجمة في طلائعيات النوى في آن واحد بسبب عدم وجود نواة حقيقة فالDNA يتواجد في السيتوبلasm، أما في حقيقيات النوى تكون العمليتان منفصلتان ، يحدث الانتساخ في النواة و تحدث الترجمة في السيتوبلasm.
- 3- تمثل بدائيات النوى بالفيروسات Viruses، الميكوبلازما Mycoplasma، البكتيريا Bacteria، أما مجموعة حقيقيات النوى تمثلها الخمائر، الطحالب، الفطريات، وحيدات الخلية (الأوالي Protozoa) وكثيرات الخلايا الحيوانية و النباتية.
- 4- تمتاز حقيقيات النوى بحجمها و تعقيد تركيبها الداخلي و تعقيد مادتها الوراثية، وتختلف حقيقيات النوى فيما بينها من حيث الحجم، الشكل، التركيب، الوظيفة.

5- المادة الوراثية في طلائعيات النوى عبارة عن جزيء واحد حلقي الشكل يدعى الصبغي الجينومي بالإضافة إلى البلاسميدات الصغيرة المنتشرة في السيتوبلازم بينما في حقيقيات النوى تكون المادة الوراثية متوضعة في صبغيات خيطية ذات نهايات سائبة المتواجدة داخل النواة.
لكننا لا نستطيع رؤية الصبغيات المنفردة داخل النواة في طور الراحة لكن عندما تدخل الخلية طور الانقسام تتکثف الصبغيات ويمكن رؤيتها حينئذ.



الشكل 2: يظهر على اليمين خلية حقيقة النواة و على اليسار خلية بدائية النواة

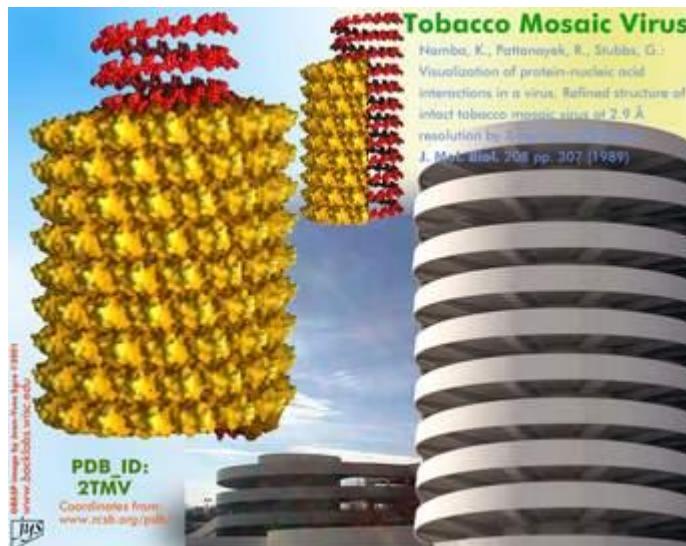
سنذكر من الخلايا بدائية النوى:

1- الفيروسات :Viruses

تعتبر الفيروسات من أصغر المخلوقات الحية من حيث الحجم حيث يتراوح حجمها ما بين 20 و 200 نانومتر، لا ترى إلا بواسطة المجهر الإلكتروني. لكي تتكاثر تحتاج إلى منabit حية (خلايا: نبات، إنسان، حيوان، جراثيم)، فهي لا تستطيع التكاثر على منabit (مزارع) اصطناعية.

تصف بنظام خلوي أقل تعقيداً من المايكوبلازمـا والجراثـيم و طبعـاً من حقـيقـيات النـوى، مادـتها الـورـاثـية تـتأـلـفـ من الـDNA أو الـRNA وبروتـينـاتـ الغـلافـ الفـيـروـسيـ.

يعود اكتشاف الفيروسات إلى العالم الروسي إيفانوفسكي Ivanowsky عندما كان يبحث عن أسباب مرض تبرقش التبغ فتبين أن سبب الإصابة يعود إلى كائنات دقيقة جداً تمر عبر المرشحات البكتيرية ... وهو أول من أطلق عليها اسم فيروس Virus والتي تعني السُّم وكان ذلك عام 1892م.

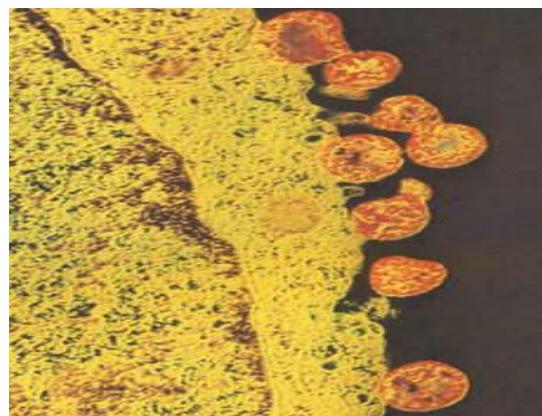


الشكل 3: فيروس فسيفساء التبغ (TMV)

2- المايكوبلازمـا :Mycoplasma

هي كائنات حية تصنف بين الفيروسات و الحراميـم. تم اكتشافها من قبل العالم Doi عام 1972 حيث عزلت من لحاء النباتات المصابة. تتميز بفقدانها للجدار الخلوي و تحاط فقط بغلاف بلاسمـي الذي يتكون من 70% بروتينـات و 30% ليبيـدـات ، وتحوي السيـتوـبلاـسـم على الـرـيـبـوـزـومـات و منـطـقـة تحـوي على مـادـة وـرـاثـيـة على شـكـل سـلـسلـتـيـن من الـDNAـ الـحـلـقـيـ.

تمـيزـ المـاـيكـوـبـلاـزـماـ بـصـغـرـ حـجمـهاـ (ـمـاـ بـيـنـ 0.2ـ وـ 0.3ـ مـيـكـروـمـترـ). وـهـيـ مـنـ أـصـغـرـ المـعـضـيـاتـ الـقـادـرـةـ عـلـىـ التـضـاعـفـ الذـاتـيـ،ـ حـيـثـ تـضـاعـفـ بـطـرـيـقـةـ الـانـقـاسـمـ الـبـسيـطـ أوـ التـبـرـعـ،ـ وـتـسـطـيـعـ العـيـشـ فـيـ مـزارـعـ صـنـاعـيـةـ بـقـدرـتـهاـ عـلـىـ التـضـاعـفـ فـيـهاـ،ـ وـفـيـ نـقـسـ الـوقـتـ تـسـطـيـعـ أـنـ تـنـموـ وـتـكـاثـرـ فـيـ خـلـاـيـاـ الـنبـاتـ،ـ الـحـيـوانـ،ـ الـحـشـرـاتـ مـسـبـبـةـ لـهـاـ تـأـثـيرـاتـ مـرـضـيـةـ.



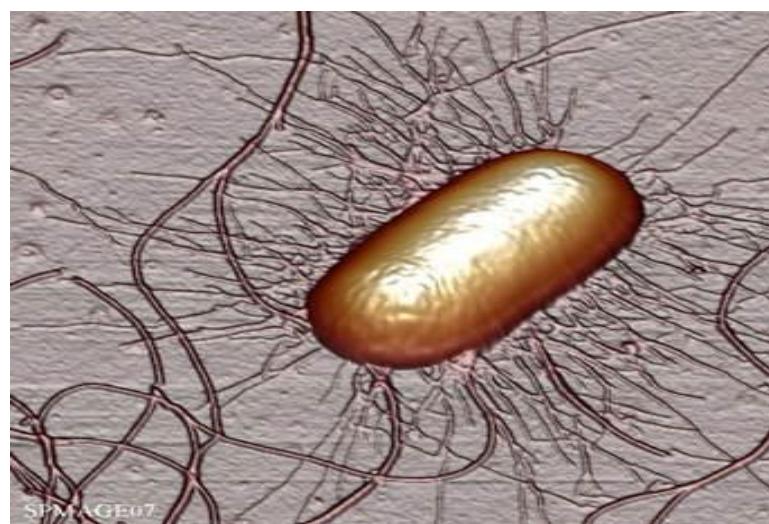
الشكل 4: المايكوبلازم الرئوية Mycoplasma Pneumonia

3- الجراثيم (البكتيريا): Bacteria

كائنات حية متناهية في الصغر و قطر معظمها في حدود الميكرومتر، لا ترى بالعين المجردة بل تحتاج على مجهر ذي قوة تكبيرية عالية. تتألف الجراثيم من خلية واحدة ورغم ذلك تستطيع القيام بجميع العمليات الحيوية الأساسية للحياة (تنفس، تنفس، تنتج طاقة و تستهلكها لتنمو و تتکاثر).

نأخذ مثال جراثيم *Escherichia coli* التي تسكن بشكل طبيعي في الأمعاء الغليظة للإنسان، وأيضاً في علب الزرع الموجودة في المخابر، حيث أن وسط الزرع هو وسط غذائي بسيط مؤلف من الكربون والهيدروجين وبعض الشوارد غير العضوية.

السبب في ذلك هو قدرة هذه الجراثيم على تحويل المركبات العضوية البسيطة إلى مركبات معقدة لاحتواها على جميع الإنزيمات الازمة لذلك.



الشكل 5: يمثل جرثومة العصبية القولونية (E.Coli) Escherichia coli

بنية الـ DNA، الجينات و الصبغيات

تمتلك النباتات والحيوانات كمية ضخمة جداً من الـ DNA أضخم بكثير من الجراثيم، مما يقع على عاتقها أن تحسن طي هذا الـ DNA من أجل أن يتسع في حجرته المخصصة له وهي النواة. بالرغم من اكتشاف المجهر الإلكتروني في بداية الأربعينيات، لسوء الحظ لم يظهر أشكال الجينات بشكل دقيق. وبفضل طريقة عزل الصبغيات عن بعضها البعض، ثبت أن الصبغيات تتالف بشكل أساسى من الحمض الريبي النووي المنقوص الأوكسجين Acid Desoxyribonucleique (DNA) ومن البروتينات المشحونة إيجابياً التي تدعى الهيستونات. ومنذ اكتشاف الـ DNA عام 1869 من قبل العالم فردرريك ميشر، و باستخدام الملون الخاص للـ DNA في عام 1920 من قبل العالم الكيميائي الألماني روبر فولجن سمح لنا برؤية الـ DNA داخل الصبغي.

الحموض النووي Nucleic Acids

سميت بالنووية لأنها اكتشفت لأول مرة في النواة، وهي نوعان الـ DNA (الحمض النووي منقوص الأوكسجين) الذي يحمل المعلومات الوراثية والـ RNA (الحمض النووي الريبي RNA) الحامل للشيفرات الوراثية من الـ DNA للمساهمة في عملية اصطناع البروتينات. تتتألف الحموض النووية من وحدات يطلق عليها النكليوتيدات، التي تتتألف من سكر خماسي وأساس آزوتى و مجموعة فوسفات. السكر الخماسي هو الريبيوز في الـ RNA والريبيوز منقوص الأوكسجين في الـ DNA.

بنية الـ DNA Structure DNA

الـ DNA هو المادة الوراثية للخلايا الحية، والوحدة الأساسية لبناء الـ DNA هي النكليوتيد الذي يتتألف من ثلاثة أجزاء أساسية:

1- سكر خماسي هو الريبيوز المنقوص الأوكسجين Deoxyribose يتميز بعدم احتوائه على جذر هيدروكسيل على ذرة الكربون¹. وهناك الحمض النووي الريبي الـ RNA الذي يحتوي سكر الريبيوز Ribose الذي يملك جذر هيدروكسيل على ذرة الكربون².

2- مجموعة الفوسفات، التي تكون إما أحادية الفوسفات، أو ثنائية الفوسفات، أو ثلاثة الفوسفات.

3- أساس آزوتى، وهناك أربع أساسات آزوتية تدخل في بنية الـ DNA وتكون ضمن مجموعتين وهما:

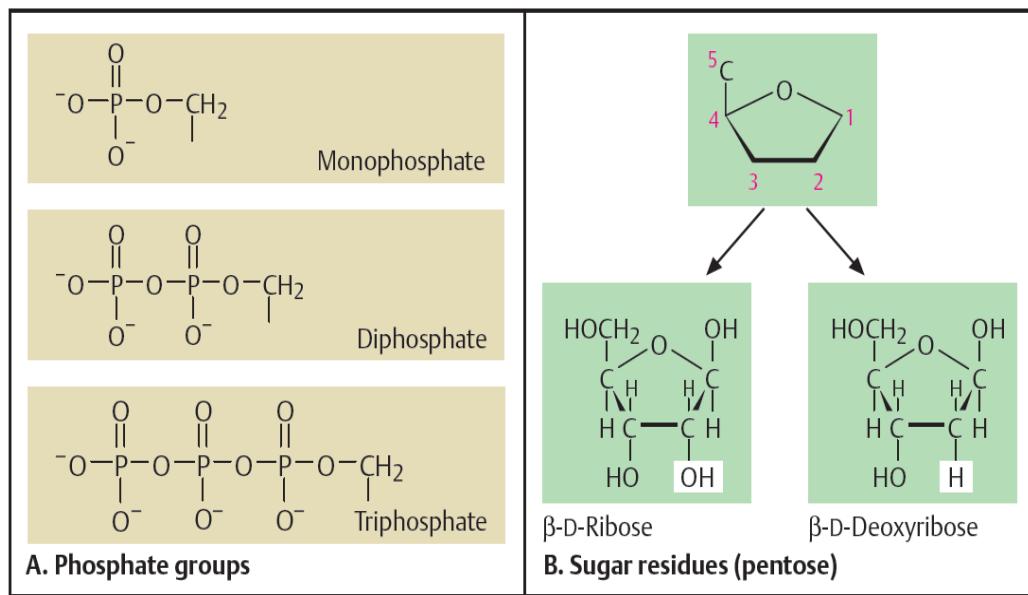
a- مجموعة البيرورينات Purines : التي تتكون من حلقتين مرتبطتين سداسية و خماسية وتضم الأساس الأزوتني الأدنين Adenine و يرمز له اختصارا بـ A ، و الأساس الأزوتني الغوانين Guanine و يرمز له اختصارا بـ G.

b- مجموعة البيرميدينات Pyrimidines : التي تتكون من حلقة واحدة سداسية و تضم الأساس الأزوتني السيتوزين Cytosine و يرمز له اختصارا بـ C ، و الأساس الأزوتني الثامين Thymine و يرمز له اختصارا بـ T.

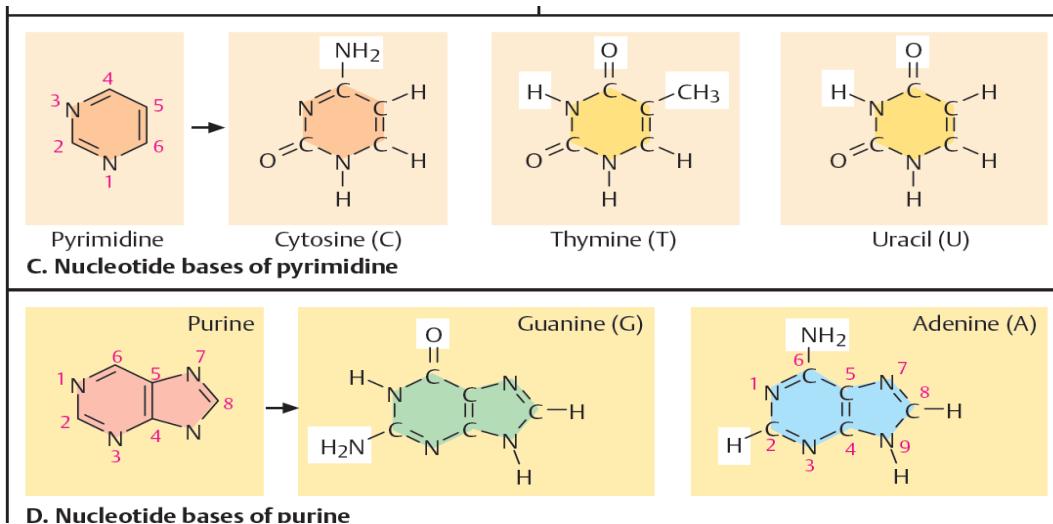
Nucleotide = ribose (or deoxyribose) + phosphate group(s) + one of the bases

هناك مصطلح آخر يدعى الكلويزيد و هو عبارة عن سكر خماسي مع أساس أزوتني (بيرورين أو بيرميدين) و لا يحوي جذر الفوسفات.

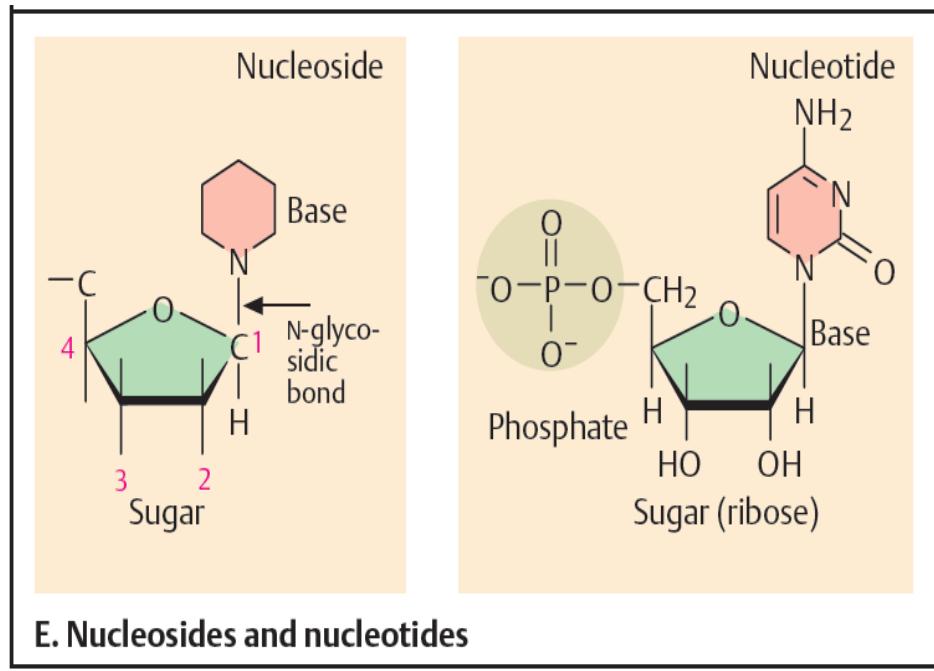
Nucleoside = ribose (or deoxyribose) + one of the bases



الشكل 6: A- مجموعة الفوسفات. B- سكر البنتوز



الشكل 7 : C - البيرميدين، D - البيورين



الشكل 8: E - النكليوزيد و النكليوتيد.

يعرف الـ DNA بأنه بولимер طويل جداً مكون من توافر متكرر من النكليوتيدات الأربع السابقة الذكر، حيث يبلغ عرض سلسلة DNA من 22 إلى 26 انغستروم، و طول النكليوتيد الواحدة 3.3 انغستروم.

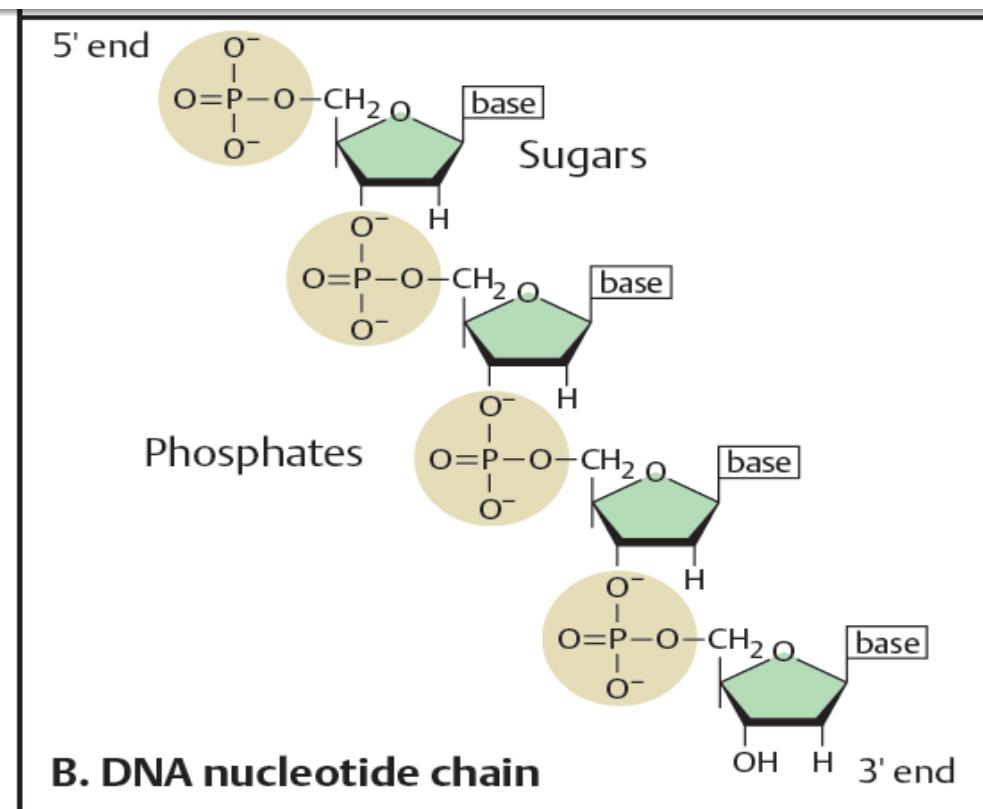
(ملاحظة : 1 انغستروم = 10^{-10} متر، وبتعبير آخر 1 متر = 10^{10} انغستروم).

بنية سلسلة الـ DNA :

كما ذكر سابقاً تتألف جزيئه الـ DNA من سلسلة متتابعة من النكليوتيدات، ترتبط هذه الأخيرة مع بعضها البعض لتشكل سلسلة من الـ DNA بواسطة إنزيم DNA Polymerase والذي يشكل رابطة فوسفو دى استر Phosphodiester Link وهي رابطة بين الهيدروكسيل المرتبط بذرة الكربون 3' في سكر deoxyribose من النكليوتيد الأول مع مجموعة الفوسفات α المرتبطة بذرة الكربون 5' من النكليوتيد التالي.

وبذلك ترتبط النكليوتيدات المترتبة برابطة Phosphodiester bond . وتشكل هذه الرابطة هيكل السكر- فوسفات لجزء الـ DNA .

ونظراً لكون نهايتي سلسلة الـ DNA مختلفتين فيكون لها قطبية Polarity ويعود ذلك أن النكليوتيد الأول من سلسلة الـ DNA يكون الكربون 5' من السلسلة و يحوي الطرف الآخر سكر deoxyribose ذو مجموعة هيدروكسيل حرة في الكربون 3' ويدعى هذا الطرف بالنهاية 3' لسلسلة الـ DNA.



الشكل 9: سلسلة الحمض النووي DNA

الـ DNA هو حلزون مضاعف :

يكون الـDNA عند بعض الفيروسات سلسلة مفردة واحدة، أما عند الكائنات الأخرى يتكون من سلسلتين من النكليوتيدات حيث يأخذ شكل حلزون مضاعف وذلك وفقاً ما ذكره العالمان واطسن و كريك 1953 م

(James Watson and Francis Crick 1953)

"يتكون الـDNA من سلسلتين متعددي البوليمرات تنتظمان على هيئة السلم الملتوي twisted ladder. يتتألف جانبي السلم اللولبي من تالي سكاكر و جذور فوسفاتية مرتبطة مع بعضها البعض بروابط الفوسفو دي استر التي تم ذكرها مسبقاً وتعتبر روابط تشاركيه بحاجة لطاقة كبيرة لفكها. ويرتبط عموداً السلم من الداخل مع بعضهما البعض بواسطه الأسس الأزوتيه عبر روابط هيدروجينية Hydrogen bonds ."

حيث ترتبط الأسس الأزوتيه مع بعضها البعض بشكل منظم كالتالي:

A يرتبط مع T برابطين هيدروجينيين.

G يرتبط مع C بثلاث روابط هيدروجينية.

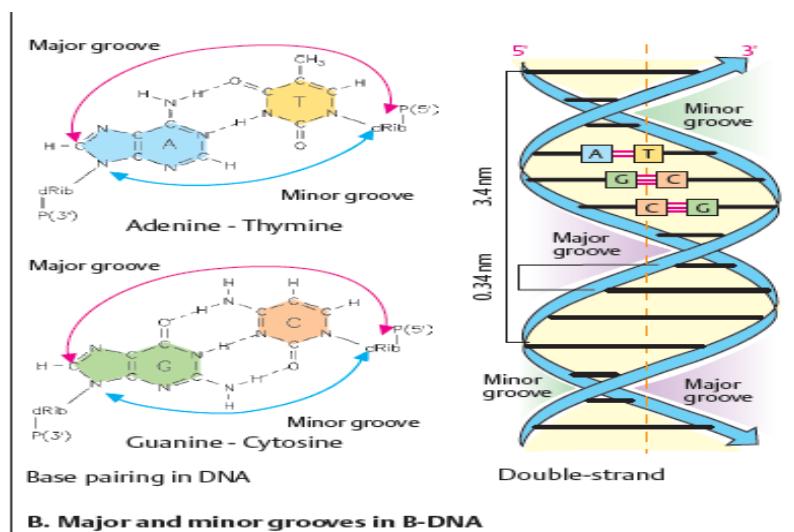
وعلى هذا الأساس الخيط الغني بـ G و C يحتاج إلى طاقة أكبر من أجل فكه.

توصف سلسلتي الـDNA بأنهما متوازيتان بالتعاكس anti-parallel حيث يكون:

- اتجاه أحد السلسلتين : مجموعة الهيدروكسيل 3' ----- 5' مجموعة فوسفات

- اتجاه السلسلة المقابلة : مجموعة فوسفات 5' ----- 3' مجموعة الهيدروكسيل

لذا فإن قراءة تسلسل إحدى سلسلتي الـDNA تمكننا بشكل تلقائي من معرفة تسلسل السلسلة المقابلة لأنهما متناممان.



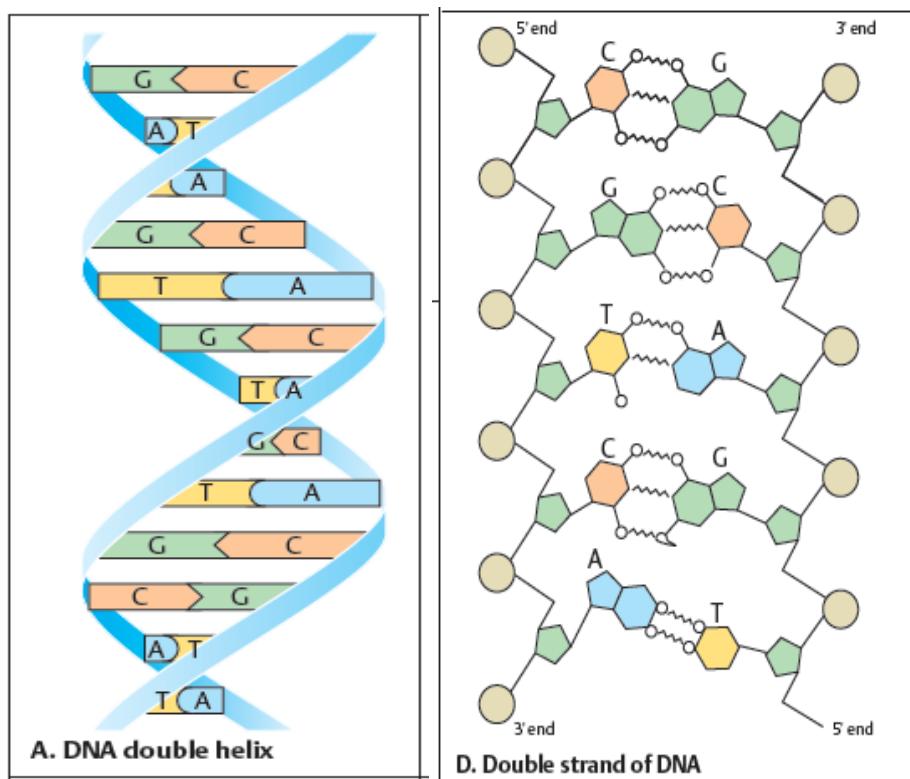
الشكل 10: يمثل الروابط الهيدروجينية بين الأسس

الجين (المورثة) :Gene

الجين هو تسلسل نوكليوتيدات تعطي الخلية معلومات محددة لاصطناع بروتين معين أو لاصطناع جزيء RNA محدد. يبلغ طول الجينات عادة 1000-4000 نوكليوتيد، مع العلم أن العلماء استطاعوا إيجاد جينات أصغر أو أكبر من ذلك. ونتيجة تحكم الجينات باصطناع البروتينات فهي وبالتالي تؤثر على التحكم بنشاط الخلية فتؤثر على مظهر الخلايا و النسج و الأعضاء و أيضا على سلوكنا و شكلنا.

الجينوم : Genome

يدعى كل جزيء DNA الموجود في الخلية بالجينوم، ويحوي الجينوم البشري حوالي 20 000 جين موزعة على حوالي 3 بليون زوج من أنسس DNA.



الشكل 11 : الحژون المضاعف لجزيء DNA

توضع جزيئات DNA داخل الصبغيات : Chromosomes

أوضحت الدراسات الوراثية أن المادة الوراثية تتواجد بشكل مضغوط (compact) في تراكيب خاصة تسمى الصبغيات، وتختلف الصبغيات في عددها من نوع إلى آخر من المتعضيات، فعند الجراثيم تكون على شكل صبغي واحد، و 8 صبغيات في ذبابة الخل، أما عند الإنسان 46 صبغي. من الناحية الجزيئية تتركب الصبغيات من نوعين من الجزيئات العملاقة وهي البروتينات و الحمض النووي DNA ، ومن الناحية الوراثية يتتألف كل صبغي من جزيئه فقط من DNA.

فعد حقائق النوى : عند الخلايا البشرية تتوزع المادة الوراثية (Deoxyribonucleic acid) على ثلاثة وعشرين زوجا من الصبغيات، ويبلغ طول الحمض النووي الكلي مترين تقريباً ويتكثّس في نواة لا يتجاوز قطرها 6 ميكرومتر.

وتعُرف الصبغيات Chromosomes بأنها أجسام خطية غير حقيقية (أو ألياف) دقيقة متشابكة مع بعضها البعض ومتواجدة في النواة، ويحوي كل صبغي جزئه DNA خطية واحدة فقط ملتفة على نفسها عدة مرات، وتألف هذه الجزيئات من سلسلات متعددات النوكليوتيدات الريبية المنقوصة الأكسجين.

ولقد أثبتت الباحثون أن الكروموسومات أو الصبغيات تكون غير مرئية حتى بعد تلوين الأنسجة أو الخلايا بملون Feulgen أو Gieamsa. لكن أثناء الانقسام الخطي أو المنصف تتعرض الصبغيات إلى عمليات تكثيف فتصبح مرئية حتى بالمجهر الضوئي، وبالتالي يمكن التعرف على عددها وشكلها وحجمها.

يتواجد DNA داخل الخلية الغير منقسمة بشكل خيوط مرتبطة مع بروتينات تسمى الهيستونات Histones بعملية تسمى التفاف DNA Coiling مشكلة بنية خيطية تدعى كروماتين Chromatin ، لكن عند دخول الخلية طور الانقسام تلت撇 خيوط DNA بشكل كبير على بعضها البعض لتشكل الصبغيات (الكروموسومات Chromosomes) وهي تكون فيها الهيستونات وـ DNA ملتفة ومتكدسة بشكل كبير بعملية تدعى الالتفاف الفائق DNA Super Coiling.

ولكن ما الفرق بين الشكل الطبيعي لـ DNA والشكل فائق الالتفاف؟

1. في الالتواء الفائق يكون DNA مكثف ومضغوط بشكل أكبر بينما يكون الطبيعي مرتاح متمدّد ويأخذ حجم أكبر.

2. سرعة DNA فائق الالتفاف في الرحلان الكهربائي أكبر بسبب كثافته العالية، كما يتربّس بسرعة أكبر عند التتفيل.

3. الشكل الطبيعي يتواجد في البكتيريا بشكل حلقي، بينما لا يتسع في خلايا حقائق النوى لذلك يتکثّف ويلتوي فيها.

اما عند بدائيات النوى :

1- الفيروسات وآكلات الجراثيم : تختلف الفيروسات والأكلات فيما بينها من حيث عدد الجينات الموجودة في حمولتها النووية (DNA أو RNA). وبكل الحالات يكون مظهراً المادة الوراثية للفيروسات بسيط و خالي من التعقيد، ويكون جينومها عبارة عن DNA وحيد أو مضاعف السلسلة و

بين الأساس وسكر الريبيوز منقوص الأوكسجين وقد تستمر الحلمة بدخول جزيئة ماء ثانية لتحرير جذر الفوسفات.

2. الحلمة بواسطة القلويات:

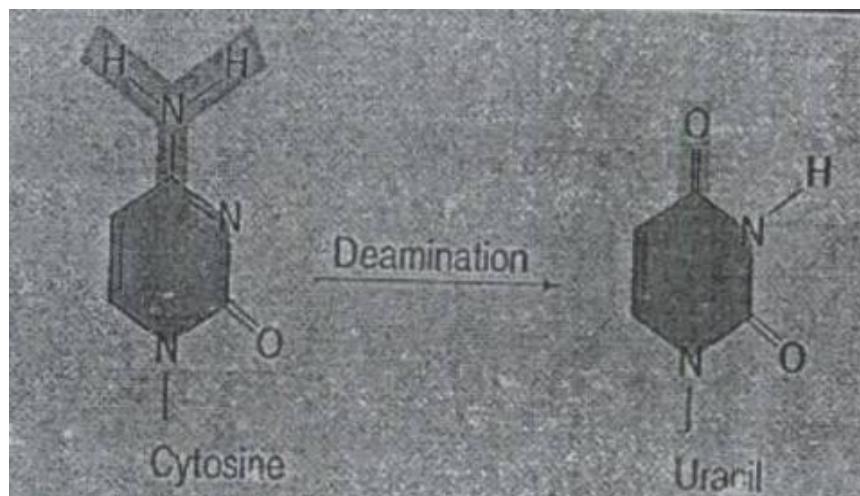
لا يتحلّمه DNA في المحاليل القلوية كونه ثابت فيها، على عكس RNA الذي يملك زمرة هيدروكسيل في الموقع 2 التي تجعله أكثر قابلية للحلمة في مثل تلك المحاليل بسبب حلمة رابطة الفوسفو دي استر التي تربط الفوسفات بسكر الريبيوز.

3. الحلمة بواسطة الأنزيمات:

هناك العديد من الأنزيمات التي تحلمه RNA وتسمى بمجموعة Ribonuclease Enzymes (أنزيمات الريبيونكلياز)، أما مجموعة الأنزيمات التي تحلمه DNA فتسمى Deoxyribonuclease Enzymes (أنزيمات الديوربيونكلياز).

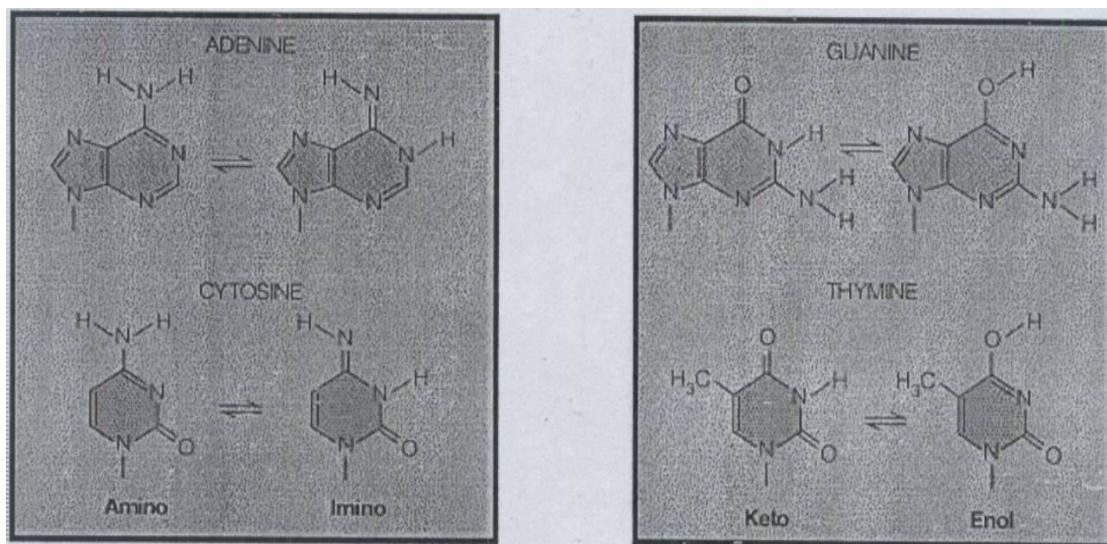
4. إمكانية حدوث طفرات على الأساس:

كون الأساس معزولة داخل الحلزون الثنائي تعتبر ثابتة، ولكن من الممكن أن يحدث عليها تفاعلين:
الأول: تفاعل الـ Deamination (نزع الأمين) وفيه يتم نزع الأمين التأكسدي من مجموعات الأمين فيتحول السيتوزين إلى يوراسيل.



الشكل 12: تفاعل الـ Deamination

الثاني: تفاعل الـ Tautomerization وفيه يتحول الأمين إلى إيمين في السيتوزين والأدنين أو يتحول الكيتون إلى إينول في الغوانين والتيمين.



الشكل 13: تفاعل Tautomerization

ثانياً: الخواص الفيزيائية Physical Properties

من أهم الخواص الفيزيائية هو التمسخ Denaturation: وهو عملية فصل الحلزون الثنائي لشريطي DNA إلى شريطين أحاديين. أكثر العوامل التي تساعد على تمسخ DNA هو الحرارة التي تعمل على فك الروابط الهيدروجينية المتشكلة بين الأسس.

تعتمد ثباتية حلزون DNA الثنائي على عدة عوامل:

تركيب DNA من الأسس الآزوتية: فال-DNA التي تحوي على الزوج A-T بشكل متكرر في بنائه ينفصل بشكل أكبر، لأن هذا الزوج من الأسس أقل ثباتيةً تجاه الحرارة وينفصل بسرعة وسهولة أكثر، على عكس الزوج G-C. وذلك كون الزوج الأول يرتبط برابطتين هيدروجينيتين في حين يرتبط الثاني بثلاث روابط هيدروجينية.

تركيز الأملاح: تحمل زمرة الفوسفات شحنة سالبة وتقاربها من بعضها يؤدي إلى حدوث تناحر فيما بينها، ولكن تعدل هذه الشحنة من قبل شوارد الأملاح وبالتالي زيادة الثباتية.

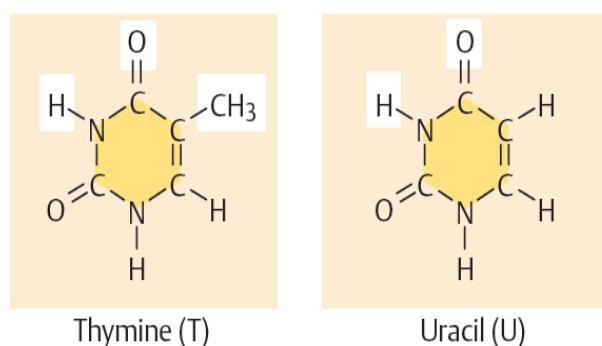
تأثير درجة الحموضة: كيميائياً لا يتأثر DNA بالقلويات وإنما بالحموض فقط، بينما فيزيائياً يتأثر DNA بشكل كبير بالقلويات لذلك تستعمل هذه الخاصية لفصل الحلزون الثنائي لل-DNA في المختبر.

الحمض النووي الريبي (RNA)

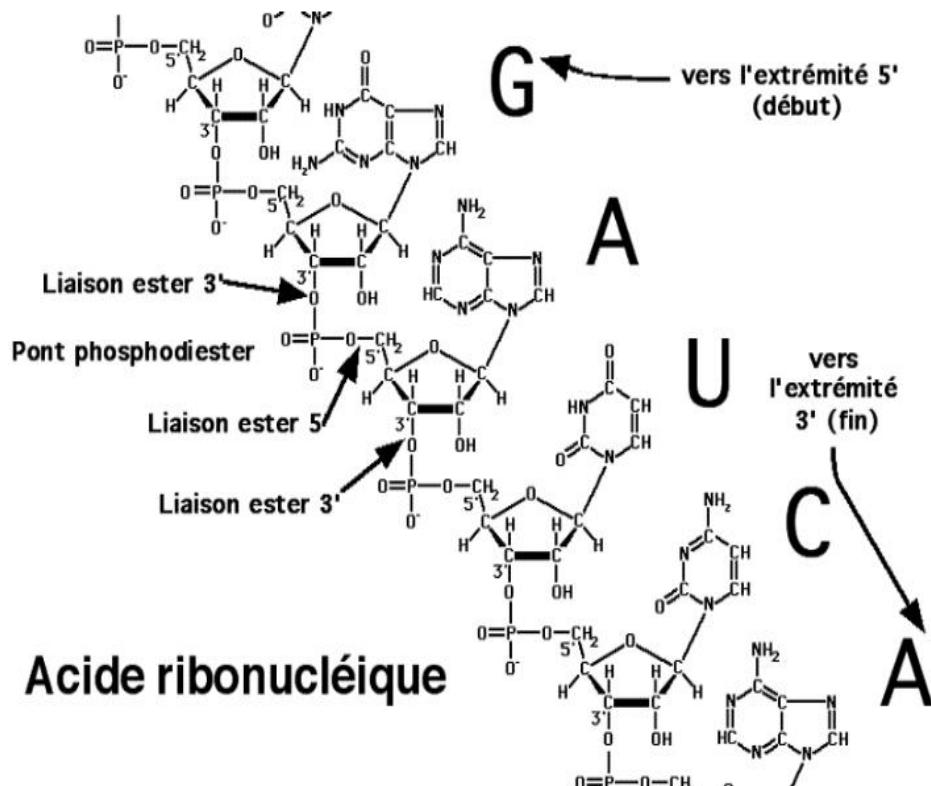
البنية الكيميائية للـ RNA:

يتتألف الـ RNA من تالي نيكلويتيدات مرتبطة الواحدة بالأخرى بنفس الطريقة كما هي في الـ DNA لتشكيل سلسلة متعددة النيكلوتيدات Polynucleotides، يختلف مع ذلك الـ RNA عن الـ DNA بثلاثة مظاهر:

- 1 - السكر الخماسي في البنية هو الريبيوز Ribose وليس الريبيوز منقوص الأوكسجين.
- 2 - يختلف في أحد الأسس الأزوتية الأربع وهو اليوراسيل (U) الذي يحل محل التيمين في الـ DNA، وبنية اليوراسيل قريبة من تلك للتيمين، لذا يستطيع اليوراسيل تماماً مثل التيمين، أن يتحد بالأدينين بروابط هيدروجينية، والأسس الثلاثة الباقية تتشابه بين الـ DNA والـ RNA.
- 3 - يوجد الـ RNA طبيعياً بشكل سلسلة منفردة متعددة النيكلوتيدات، ونتيجة ذلك يستطيع الـ RNA اعتماد بنية ثلاثية Tertiaire. وفي حال وجود سلاسل متممة على نفس الذراع، تتناثر السلسلة على نفسها بوساطة الروابط الهيدروجينية، حيث يلعب هذا المظاهر في بعض أنواع الـ RNA دوراً هاماً.



الشكل 14: بنية اليوراسيل وبنية التيمين



الشكل 15: سلسلة الـ RNA

و النكليوتيدات الداخلة في تركيب الـ RNA هي :

adenosine -5'- triphosphate ATP

cytosine -5'- triphosphate CTP

guanine -5'- triphosphate GTP

uracil -5'- triphosphate UTP

و الرابطة بين النكليوتيدات هي phosphodiester link، وأيضا لسلسلة الـ RNA اتجاه كما في DNA ، فالكربون 5 على الريبيوز في النكليوتيد الأول يكون مفسفرا و حرا وتدعى هذه النهاية بالطرف 5 من سلسلة الـ RNA ، وفي النهاية الأخرى من السلسلة يكون الهيدروكسيل على ذرة الكربون 3 من الريبيوز حرا و تدعى بالطرف 3 لسلسلة الـ RNA.

نميز ثلاث أنواع رئيسية من الـ RNA هي:

.Transfer الرسول mRNA ، Ribozomic rRNA ، tRNA الناقل Messager حيث يلعب كل نوع منها دوراً خاصاً في تركيب البروتينات.

موقع تركيب أنواع الـRNA في النواة:

تُظهر النواة بنية غير متجانسة: تُميّز تحديداً النوية، الكروماتين، يُبيّن التركيب الكيميائي للنوية أنها غنية جداً بالـrRNA، حيث يمكن لـDNA أن يتفكك موضعياً بدون إتلاف الصبغيات، يتهدّج الـrRNA نوعياً مع الـDNA المطابق في منطقة هي المنطقة المنظمة للنوية، يتم تصنيع المكونات البروتينية والريبية النوية للتحت وحدتين للريبوزوم في النوية، ثم تنتقل الريبوزومات عبر الغشاء النووي إلى السيتوبلاسم. بينما يتم تركيب الـmRNA والـtRNA من الكروماتين الحقيقي (لتذكرة: للكروماتين نوعين وهما الكروماتين المعاير وفيه مناطق متراصة جداً ذات تصبغ شديد وجيناتها غير فعالة، والكروماتين الحقيقي وفيه مناطق تسمح بالانتساخ والجينات التي عليها فعالة في الغالب).

إذاً الـRNA هو شريط مفرد يضم سكر الريبوز والأسس الأزوتية السيتوزين والأدينين والغوانين والليوراسييل، وله ثلاثة أنواع تتوزع بين النواة والسيتوبلاسم وهي: الـRNA الريبوزومي (rRNA) والـRNA الرسول (mRNA) والـRNA الناقل (tRNA).

1. الـRNA الرسول (mRNA): سلسلة مفردة يتواجد في النواة ويشكل 5% من كمية الـRNA الموجودة في الخلية، وهو الحامل للمعلومات الوراثية من جزء الـDNA إلى الجسيمات الريبية (الريبوزومات) في السيتوبلاسم لتشكيل ما يسمى بالجسيمات المتعددة Polysomes لتصنيع البروتينات. يستنسخ الـRNA الرسول بالاتجاه من 5' إلى 3'. من مزايا الـRNA الرسول أنه يحمل على النهاية 5' قبعة من الميثايل غوانوزيين، أما الطرف 3' فيكون متعدد الأدينوزين AAA.

2. الـRNA الناقل (tRNA): يوجد في السيتوبلاسم ويشكل حوالي 15% من كمية الـRNA في الخلية، ووظيفته نقل الحمض الأميني وفق التسلسل المحدد حسب تسلسل الكودونات في الـmRNA.

يتألف من سلسلة قصيرة منطوية حول نفسها مشكلاً عرى، تحوي 75-90 نيكليوتيداً ترتبط مع بعضها ارتباطات ثانوية نتيجة لتشكل روابط هيدروجينية مشكلاً تركيب يشبه ورقة البرسيم والذي يتميز بالخصائص التالية:

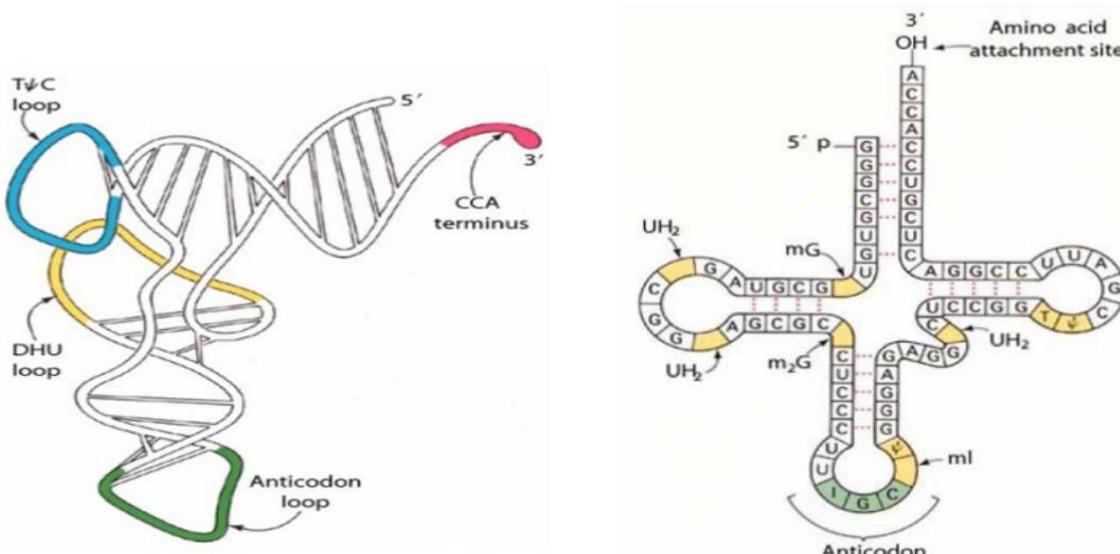
- تحمل النهاية 3' في نهايتها التتالي C-C-A وهي مميزة لكل أنواع الـRNA الناقل.
- العروة I وتعرف بعروة ثنائي هيدروبيوراسييل DHU.
- العروة II وهي عروة الشيفرة المقابلة Anticodon (مقابلة الشيفرة أو مقابلة الكودون) وهي ثلاثة تختلف حسب الحمض الأميني وتقابل الشيفرة المناسبة على الـmRNA لصنع متعددات

الببتيد. وبذلك يرتبط tRNA مع mRNA مع tRNA بسبب تشكل روابط هيدروجينية بين الكodon و مقابلة الكodon، فعلى سبيل المثال : الكodon المشفر للحمض الأميني ميثيونين هي

3'-UAC-5' و هي ترتبط مع مقابلة الكodon ذات التسلسل **5'-AUG-3'**

- الذراع الإضافي III وهو غير موجود دائمًا ويتغير من حمض أميني آخر.

- العروة IV والتي تحوي على التيميدين-بوردين الكاذب-سيتوزين والتي ترتبط RNA الناقل على جسيمة الريبوزوم (الجسم الريبي).

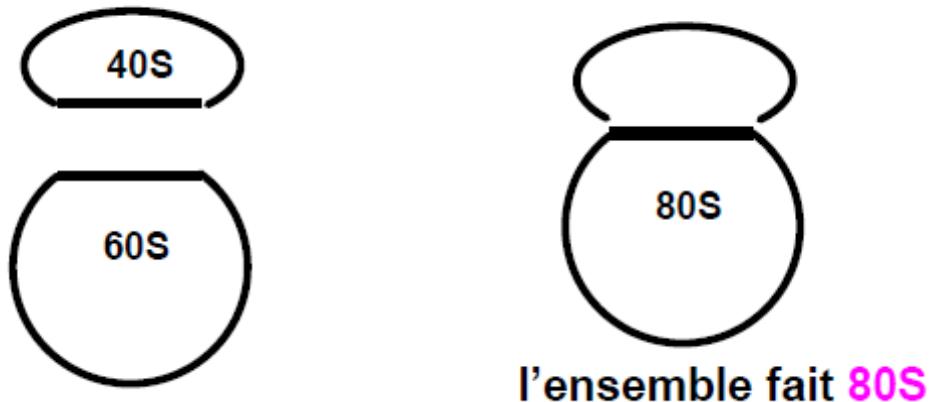


الشكل 16: البنية ثنائية وثلاثية الأبعاد لـ RNA الناقل

3. الـ RNA الريبوزومي (rRNA): يشكل 75-80% من كمية RNA في الخلية ويمكن أن نميز منه ثلاثة أنماط خفيف ومتوسط وثقيل. يرافق الـ rRNA بروتين تركيبي ويشكل حوالي 35-40% منه بينما تشكل الوحدات الببتيدية 60-65%.

يتكون الريبوزوم في بدائيات النوى من وحدتين ثانويتين لهما معامل ترسيب 70S (سفديرغ) (30S & 50S). فالوحدة الكبيرة 50S تتكون من 23S و 5S و 30S وحدة ببتيدية، بينما الصغيرة 30S تتكون من 16S و 20S وحدة ببتيدية.

أما الريبوزومات في حقيقيات النوى فتتكون من وحدتين ثانويتين لهما معامل ترسيب 80S (40S & 60S) (الشكل 9). فالوحدة الكبيرة 60S تتكون من 28S و 5S وأكثر من 50 وحدة ببتيدية، بينما الصغيرة 40S فت تكون من 18S وأكثر من 20 وحدة ببتيدية.



الشكل 17: الجسم الريبي

الانتساخ الـ DNA وترجمة الـ RNA (اصطناع البروتين)

مقدمة :

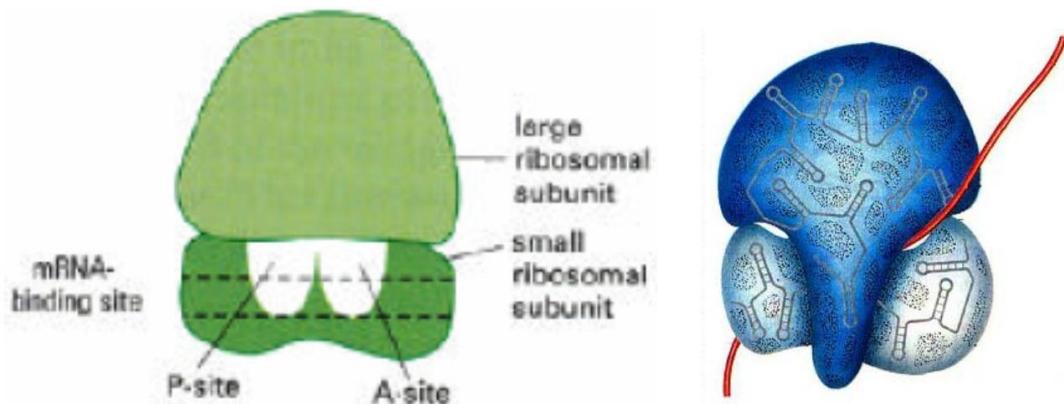
الانتساخ هو العملية التي يتم فيها نقل المعلومات الموجودة في الـ DNA إلى الـ RNA. يمتلك الـ RNA تماماً مثل الـ DNA جانبياً، تسلسلاً من الأسس الآزوتية قابلة للاقتران بروابط هيدروجينية مع تناول متمم، وبما أن البيراسييل يظهر كما الثايمين نفس خصائص الاقتران مع الأدنين، لذا يصبح ممكناً التهجين بين الـ DNA و الـ RNA. تسمى الجينات المشفرة للـ mRNA بالجينات المشفرة للبروتين protein-coding genes و عندما تنتقل المعلومات الوراثية لجين محدد إلى الـ mRNA ومن ثم إلى بروتين نقول أن التعبير الجيني قد تم.

الريبوزومات:Ribosomes

تتألف الريبوزومات من الـ RNA الريبوزمي وعدد كبير من البروتينات.
يتكون الريبوزوم في بدائيات النوى من تحت وحدتين ثانويتين لهما معامل ترسيب $S = 30S \& 70S$. فالتحت الوحدة الكبيرة $50S$ بينما الصغيرة $30S$.
أما الريبوزومات في حقيقيات النوى فتتكون من تحت وحدتين ثانويتين لهما معامل ترسيب $S = 40S \& 60S$. فالتحت الوحدة الكبيرة $60S$ بينما الصغيرة $40S$.

اعتمد في تسمية تحت الوحدات اعتماداً على معيار محدد يسمى Svedberg unit (سفيدبرغ) وهو عبارة عن سرعة ترسب هذه الوحدات في حقل معتمد على الجاذبية. لا تتركب التحت وحدتين الكبيرة والصغرى إلا أثناء تصنيع البروتين.

يمثل الجسيم الريبي الوظيفي مكان فك الشيفرة والربط الببتيدي، حيث يمتلك الجسيم الريبي الوظيفي الموضع A لربط الـ tRNA الحامل للأحماض الأمينية والموضع P لإتمام الرابطة الببتيدية والموضع E الذي ينفصل عنه tRNA



الشكل 18: الجسيم الريبي الوظيفي

الشيفرة الوراثية :

الشيفرة الوراثية : هي مجموعة التعليمات التي تحدد للخلية الحموض الأمينية التي سترتبط مع بعضها البعض لنكون البروتين.

تألف الشيفرة من تنالي الأسس الآزوتية على سلسلة mRNA، وتعد كل ثلاثة أسس متتالية كodonأ (شيفرة) ويرمز إلى إحدى الحموض الأمينية، ولبعض الحموض الأمينية أكثر من كودون. هناك 20 حمض أميني، ويوجد فقط أربعة أسس في الـ DNA وهي (A ، T ، C ، G). كل 3 أسس= كودون. $(4*4*4) = 64$ شيفرة (كودون).

من بين 64 شيفرة، هناك ثلاث شيفرات تدعى شيفرات التوقف stop signal توقف اصطناع البروتين، و 61 شيفرة تقوم بتشغير الحموض الأمينية العشرين.

فمثلاً : الحمض الأميني الميثيونين methionine و التريبتوفان tryptophan لهما شيفرة واحدة فقط . أما الحموض الأمينية الـ 18 الباقيه تشفير إما بـ 2 أو 3 أو 4 أو 6 codons.

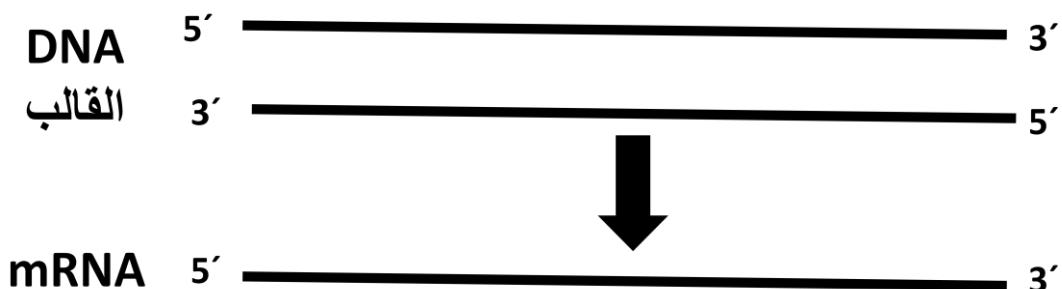
بافتراض أن هناك 20 شيفرة لـ 20 حمض أميني، أي شيفرة واحدة فقط لكل حمض، في هذه الحالة يبقى 44 شيفرة بدون عمل، في هذه الحالة سوف تسبب الطفرات خلاً" في اصطناع البروتين و يؤدي إلى توقف الاصطناع.

- يسمى كودون AUG : كودون البدء start codon وهو يحدد أول حمض أميني يضاف للسلسلة البتيدية وهو حمض الميثيونين Met (في حققيات النوى)، و الميثيونين المعدل و المسمى فورميلا الميثيونين (في بدائيات النوى).
- كودونات التوقف : stop codon وهي تحدد نهاية اصطناع البروتين وهي ثلاثة كودونات (UAA، UAG، UGA).

مراحل ترسيب البروتين:

1 - الانتساخ DNA transcription

الانتساخ و هو مرحلة يتم فيه اصطناع الـ mRNA، و تعمل سلسلة واحدة فقط من سلسلتي الـ DNA كسلسلة قالب template strand لانتساخ الـ RNA، فالذراع 5' → 3' من الـ DNA هو الذي يقوم باصطناع الـ RNA الرسول الذي يصطف بالاتجاه 3' 5'



الشكل 19: عملية انتساخ الـ DNA إلى mRNA

الأنزيم المسؤول عن عملية الانتساخ هو RNA polymerase الذي يجب أن يتعرف على منطقة البدء النسخ في الـ DNA والتي تقع قبل المنطقة المشفرة وتسمى Promoter (بروموتور: منطقة البدء)، وهو منطقة معينة من الـ DNA تضم تسلسل معين من النوكليوتيدات يشير إلى نقطة البدء في تركيب سلسلة الـ RNA، يرتبط هذا الأنزيم بالـ Promoter ومن ثم يبدأ نسخ الـ RNA الرسول في هذه المنطقة. حيث ينطلق أنزيم RNA Polymerase على طول سلسلة الـ DNA بعد فك الحزون الثنائي دون الحاجة إلى طاقة، و يحفز على تشكيل روابط phosphodiester links بين الريبيونوكليوتيدات المتتالية التي ستتشكل سلسلة الـ RNA الجديدة. يستمر الأنزيم بالانطلاق على سلسلة الـ DNA حتى وصوله إلى منطقة النهاية terminator والتي تعني وقف عمل الأنزيم وانتهاء الانتساخ، وذلك إما بتدخل أو عدم

تدخل عامل بروتيني خاص لهذه المنطقة يدعى العامل البروتيني m. ثم ينفصل أنزيم RNA Polymerase عن القالب وكذلك سلسلة RNA المنسوخة.

2- معالجة الـ RNA (RNA processing)

قبل بدء شرح عملية المعالجة، يجب معرفة أن جينات خلايا حقيقيات النوى تحتوي على مناطق مشفرة تدعى إكسونات exons ومناطق غير مشفرة تدعى إنترونات introns . في المرحلة الأولى من الانتساخ يتم انتساخ سلسلة RNA تحتوي على تسلسلات الإكسونات و الإنترونات و تدعى بطليعة الـ RNA الرسول وتتميز بعدم نضجها (pre-mRNA or precursor mRNA). لكن قبل أن يغادر الـ RNA الرسول المنسوخ النواة باتجاه السيتوبلازم ليخضع لعملية الترجمة البروتينية، تطرأ عليه سلسلة من التغيرات بغية إعطائه شكله النهائي. حيث يتم إزالة الإنترونات و وصل الإكسونات بعملية تعرف بـ RNA splicing و ذلك بمساعدة معدقات تسمى spliceosomes التي تقوم بالتعرف على تسلسلات الإنترونات وقطعها و تصل الإكسونات المجاورة.

في نهاية مرحلة المعالجة، يتشكل الـ RNA الرسول الناضج (الحامل فقط للإكسونات) الذي يمر من ثقوب النواة و يتوجه إلى السيتوبلازم ليترجم داخل الجسيمات الريبية إلى بروتين.

3- الترجمة Translation

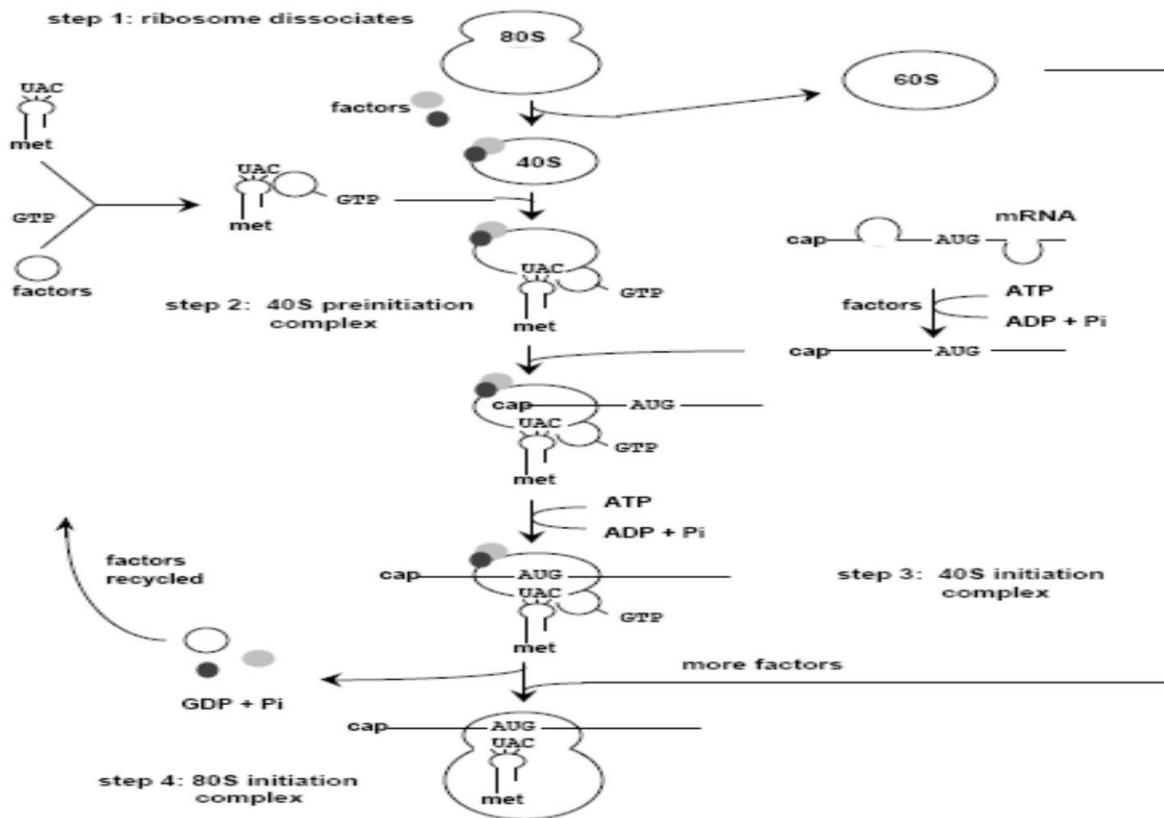
وهي ترجمة الشيفرات الوراثية إلى الحموض الأمينية و تتضمن عدة مراحل:

أ- مرحلة تنشيط الحموض الأمينية: يتم خلالها تنشيط الحموض الأمينية وتشكل مركبات Aminoacyl-AMP في سوية البلاسما الشفيفية بإضافة جزيئة AMP قادمة من تفكك جزيئة ATP إلى الطرف الحاوي على الزمرة الكربوكسيلية من الحمض الأميني، بواسطة أنزيم Aminoacyl- tRNA Synthetase يرتبط المعدق السابق (Aminoacyl-AMP) إلى زمرة الهيروكسيل لجزيء السكر في الموقع 3 لجزيء الـ tRNA لتشكيل الـ Aminoacyl-tRNA حامل لحمض أميني (Amino acid).

ب- مرحلة بدء إنشاء سلسلة عديد الببتيد: في حقيقيات النوى

يرتبط الـ RNA الناقل البادي initiator RNAAt الحامل للحمض الأميني الميثيونين مع تحت الوحدة الصغيرة (40s)، وبشكل موازي يرتبط RNA الرسول mRNA مع تحت الوحدة الصغيرة (40s) للجسيم الريبي، والتي تنزلق على سلسلة الـ RNA الرسول حتى تصل إلى كodon البدء AUG والتي يرتبط بها الـ RNA الناقل البادي initiator RNAAt الحامل للحمض الأميني الميثيونين ثم ترتبط تحت

الوحدة الصغيرة إلى تحت الوحدة الكبيرة والذي يؤدي وبالتالي تشكل جسيم رئيسي وظيفي وذلك بمساعدة شوارد المغنيزيوم Mg^{++} وعوامل البدء البروتينية وأيضاً "GTP".

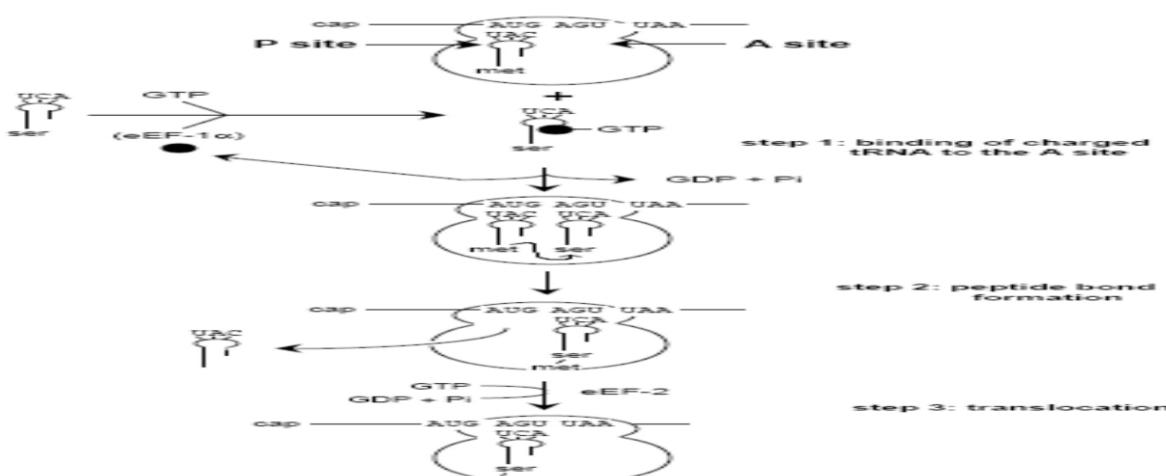


الشكل 20: بدء عملية تكوين السلسلة البروتينية على الجسيمات الريبية

ج- مرحلة إطالة السلسلة البروتينية **Elongation of Polypeptide Chain**: تتم إطالة السلسلة البروتينية بإضافة وعى التوالى حمض أميني إلى النهاية الكربوكسيلية للسلسلة حتى نحصل على البروتين المكون له. أي أن التفاعل الأساسي هو تشكيل الرابطة البروتينية بين الزمرة الكربوكسيلية للحمض الأميني السابق والزمرة الأمينية للحمض الأميني القادم.

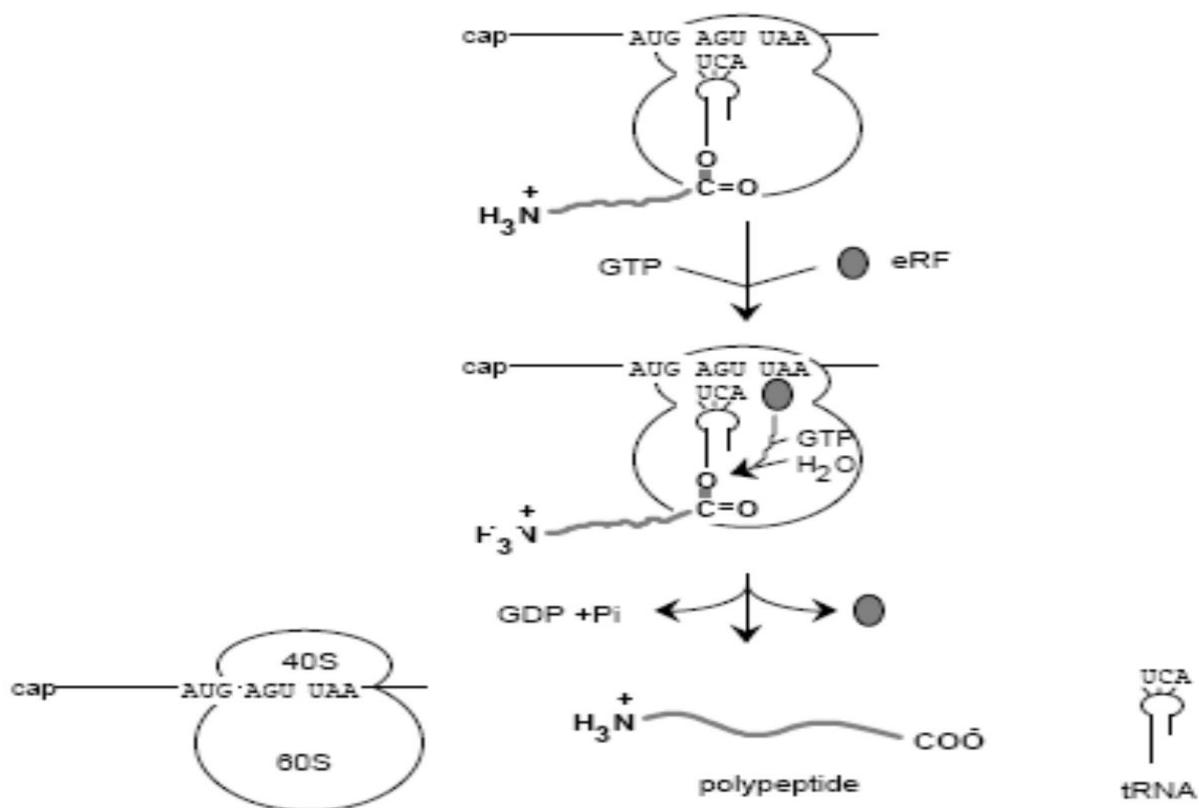
يتم اختيار كل حمض أميني ينضم إلى سلسلة متعدد الببتيد وفق قاعدة تزامن الأسس بين الرامز Codon في جزيئه الـ RNA الرسول والرامزة المقابلة Anticodon المتمم له على معقد الـ Aminoacyl-RNA. وتتضمن آلية الترجمة Translation الخطوات التالية:

- الـ RNA الناقل الحامل لحمض الميثيونين يرتبط بموقع الارتباط P على الجسيم الريبي الوظيفي.
- يكون الريبوزوم (الجسيم الريبي) موجهاً بحيث يتحرك على طول سلسلة الـ RNA الرسول في الاتجاه 5' إلى 3'.
- ارتباط RNA ناقل حامل لحمض أmino acid ثانى إلى الموقع A في الريبوزوم، تتوافق شيفرته المقابلة مع الكودون أو الرامز الجديد على الـ RNA الرسول (Anticodon).
- تشكيل الرابطة الببتيدية بين الأمينيين المتوضعين في الـ A و الموقع P ويسمى المعقد (the Peptidyl-RNA), أي بين الميثيونين و الحمض الأميني الثاني وذلك بواسطة إنزيم الـ peptidyl transferase، فيصبح هذان الحمضان ثنائي الببتيد مرتبطين بالموقع A وتتحرر جزيئه الـ RNA الناقل المستهلكة الكائنة في الموقع P (الذي كان حاملاً للميثيونين) وتخرج من الموقع E فاسحة المجال لجزيء Aminoacyl-RNA الجديدة بالدخول.
- انزياح سلسلة الـ mRNA ضمن الوحدة الصغيرة للريبوزوم بمسافة رامزة واحدة (ثلاث نيكليوتيدات) إلى الأمام ساحبةً معها جزيئه الـ Peptidyl-RNA من الموقع A إلى الموقع P بحيث يصبح الموقع A شاغراً لجزيء Aminoacyl-RNA جديد.
- وتتكرر في هذه المرحلة الخطوات السابقة عدداً من المرات يتواافق وطول المورثة.
-



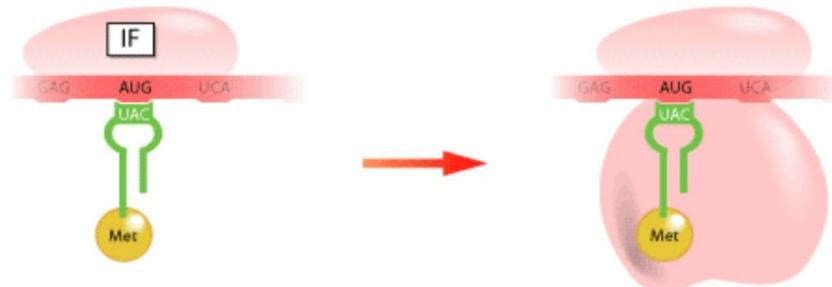
• الشكل 21: تكرار إضافة الأحماض الأمينية لتطويل السلسلة الببتيدية

د- مرحلة الانتهاء **Termination Phase**: ويتم فيها قطع السلسلة البتيدية المتشكلة مع الوصول إلى كodon الانتهاء، هذه الرؤامز لا تعرف عليها جزيئات tRNA وبالتالي لا توجد حموض أمينية خاصة بهم. بدل أن يرتبط tRNA مع أحد هذه الكودونات عندما تصل على الموقع A ترتبط معها بروتينات تسمى العوامل المحررة للسلسلة، و تملك حقائق النوى عاملين محررين هما eRF1 و eRF3. وفي خطوة لاحقة يتحرر الحمض الأميني البادئ الميثيونين (الأول في السلسلة) من السلسلة بواسطة أنزيمات خاصة، وتتفصل السلسلة عن الريبيوزوم وتتحرر إلى السيتوبلازم وتبدأ بالتحول إلى بنيتها الثانوية والثالثية وقد ترتبط مع سلسلة ببتيدية أو زمرة وظيفية أو مركبات أخرى لتشكيل البروتينات الوظيفية. يحرر الريبيوزوم بعد ذلك جزيئة RNA الرسول وتتفصل الوحدتين عن بعضهما البعض لتعود وتجمعت من جديد مع جديدة RNA رسول ليباشر اصطناع بروتين جديد وهكذا.

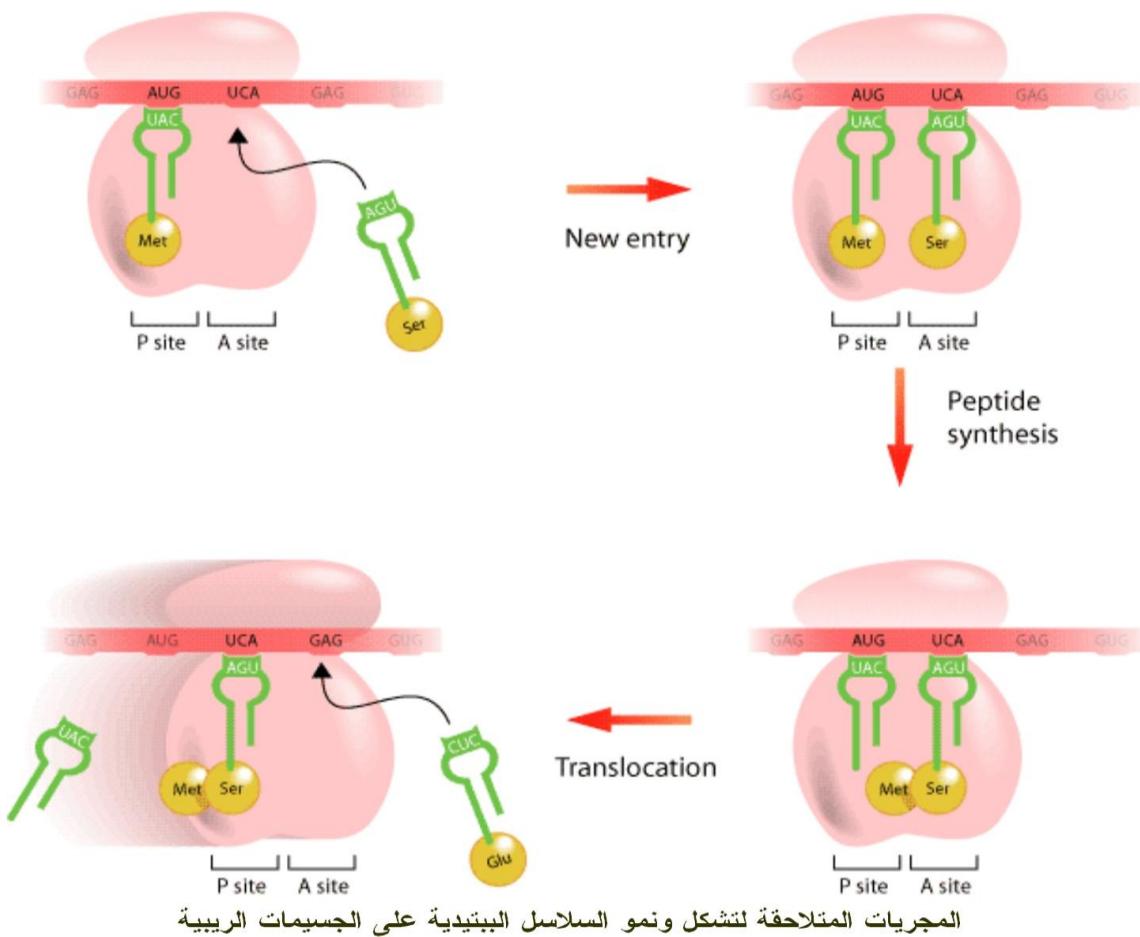


الشكل 22: المرحلة الانتهائية في نشوء السلسلة البتيدية

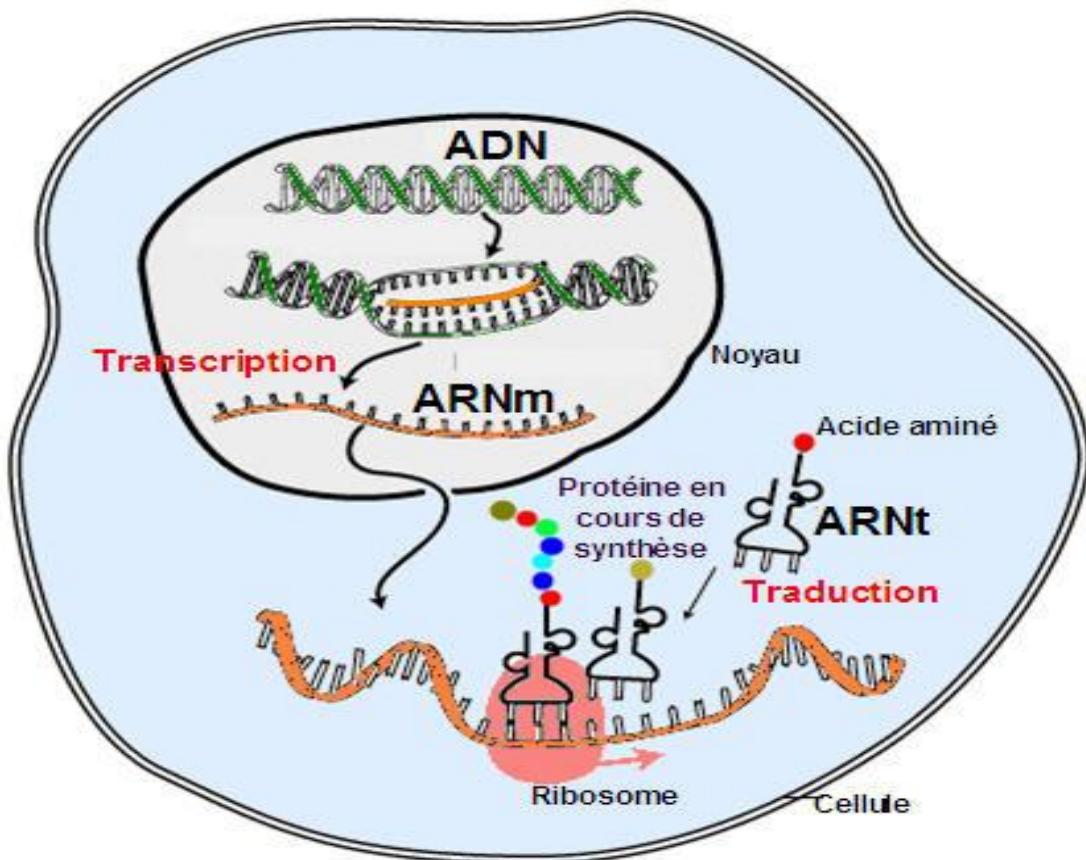
a) Initiation



b) Elongation



الشكل 23: المجريات المتلاحقة لتشكل ونمو السلسلة البروتينية على الجسيمات الريبيبة



الشكل 24: شكل عام لجميع المجريات تشكيل البروتين داخل الخلية ابتداء من الانتساخ و حتى نهاية تشكيل البروتين